

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE**



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome

MASTRANGELO SALVATORE

Indirizzo

Telefono

Fax

E-mail

salvatore.mastrangelo@unipa.it

Nazionalità

italiana

Data di nascita

03-07-1984

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

2 NOVEMBRE 2024 – AD OGGI

Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie Alimentari e Forestali.

Università

PROFESSORE ASSOCIATO

Attività didattica, didattica integrativa e servizio agli studenti.

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

2 NOVEMBRE 2021 – AD OGGI

Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie, Alimentari e Forestali.

Università

Ricercatore a t.d. - t.pieno (art. 24 c.3-b L. 240/10).

Attività didattica, didattica integrativa e servizio agli studenti. Impegno orario di 1.500 ore annue.

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego

23 DICEMBRE 2019 – 26 OTTOBRE 2021

Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie, Alimentari e Forestali. Progetto LEO. Sottomisura: 16.2 - “Sostegno a progetti pilota e allo sviluppo di nuovi prodotti, pratiche, processi e tecnologie.

Università

Assegno di Ricerca

• Principali mansioni e responsabilità	Parametri di qualità del latte in bovini siciliani e benessere animale in bovini e suini: Individuazione di dati fenotipici definizione di protocolli per la loro raccolta e produzione, sia a livello di singolo animale che di allevamento, e validazione.
• Date (da – a) • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego • Principali mansioni e responsabilità	4 OTTOBRE 2019 - 30 GIUGNO 2020 Ministero dell'Istruzione, Università e Ricerca, IC COSMO GUASTELLA Scuola secondaria di I grado Docente a tempo determinato in aspettativa per studio da 20-12-2019 al 30-06-20 Sostegno
• Date (da – a) • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego • Principali mansioni e responsabilità	11 OTTOBRE 2018 - 30 GIUGNO 2019 Ministero dell'Istruzione, Università e Ricerca, CPIA Palermo 1, Sede Pagliarelli Scuola secondaria di I grado Docente a tempo determinato , in aspettativa per studio da 11-10-2018 al 22-02-19 e dal 01-04-19 al 30-06-19 Matematica e Scienze
• Date (da – a) • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego - Principali mansioni e responsabilità	22 FEBBRAIO 2018 – 22 FEBBRAIO 2019 Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie, Alimentari e Forestali, DR 3481 del 19/12/2017, Prot. N 663 del 21/02/2018 - progetto “Approccio integrato per lo sviluppo di prodotti innovativi nei settori trainanti del comparto agroalimentare siciliano” F/050267/03/X32 COR 109494, Asse 1, azione 1.1.3. Università Assegno di Ricerca Tracciabilità/autenticazione genetica delle produzioni lattiero-casearie ovine ottenute con latte o miscele di latte appartenente ad una o più razze autoctone siciliane (TARGET) da quelle ottenute parzialmente o totalmente con latte di origine diversa (FOREING).
• Date (da – a) • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego • Principali mansioni e responsabilità	26 OTTOBRE 2017 - 21 DICEMBRE 2017 Ministero dell'Istruzione, Università e Ricerca, Scuola media statale Palumbo, Villabate Scuola secondaria di I grado Docente a tempo determinato Sostegno
• Date (da – a) • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di azienda o settore	30 MARZO 2016 - 2 GIUGNO 2016 Ministero dell'Istruzione, Università Ricerca, I.C.S Manzoni-Impastato, Palermo Scuola secondaria di I grado

- Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità
-
- Date (da – a)
 - Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
-
- Principali mansioni e responsabilità
-
- Date (da – a)
 - Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità
-
- Date (da – a)
 - Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità
-
- Date (da – a)
 - Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità
-
- Date (da – a)
 - Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità
-
- Date (da – a)
 - Nome e indirizzo del datore di lavoro

Docente a tempo determinato

Sostegno

SETTEMBRE 2014 – GENNAIO 2015

DIDAFORM, consorzio per la didattica, l'orientamento e la formazione professionale

Ente di formazione professionale

Collaborazione per attività di docenza, formazione e stage (n° 86 ore); progetto di formazione dal titolo “Esperto in Qualità, Tracciabilità, Sicurezza e Ambiente della filiera lattiero-casearia” Obiettivo 2.

Insegnamento

29 APRILE 2014 – 28 AGOSTO 2015

Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie e Forestali, Prot 31894 del 06/05/2014 Contratto n 738 del 2014, su progetto PON02_00451_3133441: PROFOOD.

Università

Assegno di Ricerca

Valorizzazione delle produzioni lattiero-casearie siciliane, mediante applicazioni biomolecolari, chimiche e nutri-genomiche. Attività di ricerca e di supporto alla didattica.

19 MAGGIO 2014 – 24 GIUGNO 2014

Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie e Forestali. PON02_00451_3133441: PROFOOD. CUP B61C1200076005 ammesso a finanziamento con Decreto Direttoriale 829/Ric del 26/11/2012, CUP Formazione: B68J12000230007. Prot.n 4493 e 4496 del 16/7/2014

Università

Contratto di prestazione d'opera intellettuale per attività di docenza (n ore 80) su progetto PON, Esperto in Qualità, Tracciabilità, Sicurezza e Ambiente della filiera lattiero-casearia” Obiettivo 1.1 e 1.2.

Insegnamento “zootecnica e miglioramento genetico”

Marzo 2014 - Novembre 2014

Università degli Studi di Palermo, Centro di Orientamento e Tutorato C.O.T.

Università

Tutoraggio, n° 250 ore

Attività di supporto all'approccio metodologico, consulenza, guida e tutoraggio agli studenti.

15 Febbraio 2013 – 15 Giugno 2013

Dipartimento Scienze Agrarie e Forestali - Università degli Studi di Palermo. “P.O. F.E.S.R. 2007-2013, 4.1.1 Applicazioni Biotecnologiche e bioinformatiche per la tracciabilità delle produzioni carnee siciliane,

- Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro

- Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

CUP G63F11001240004

Università

Collaborazione coordinata e continuativa

Attività di supporto alle analisi di marcatori molecolari tramite l'utilizzo di *SNP's genotyping array*.

08/09/2010 – 08/12/2010

Dipartimento S.EN.FI.MI.ZO. - Facoltà di Agraria - Università degli Studi di Palermo. R4D590P1PFBESS, prot. n 749 del 08/06/2010

Università

Collaborazione Coordinata e Continuativa

Studio della biodiversità autoctona ovi-caprina tramite l'utilizzo di marcatori molecolari (Microsatelliti e SNPs) e analisi comparativa dei risultati.

Maggio 2010 – Giugno 2010

Centro Universitario di Calcolo (CUC), Università degli Studi di Palermo

Università

Rilevatore

Rilevazione, catalogazione ed somministrazione dei questionari relativi all'opinione degli studenti sulla didattica

12/01/2010 – 12/03/2010

Dipartimento S.EN.FI.MI.ZO. - Facoltà di Agraria - Università degli Studi di Palermo. Progetto PRIN 2007 "Efficienza nutrizionale e proprietà del latte di capre a diversa attitudine genetica alla produzione di caseina in relazione al regime alimentare al pascolo. Responsabile Scientifico Prof.ssa Adriana Bonanno

Università

Collaborazione Coordinata e Continuativa

Esecuzione di analisi molecolari a livello di DNA per l'identificazione delle varianti genetiche ai diversi loci caseinici in capre autoctone.

1 APRILE 2019 – 30 SETTEMBRE 2019

Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie, Alimentari e Forestali, DR 3 del 18/01/2019 - progetto "Approccio integrato per lo sviluppo di prodotti innovativi nei settori trainanti del comparto agroalimentare siciliano" F/050267/03/X32 COR 109494.

Messa a punto di un sistema di tracciabilità/autenticazione genetica delle produzioni ovine lattiero-casearie tipiche siciliane.

BORSISTA

10/11/2015 – 09/12/2016

Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie e Forestali. Progetto AGRIVET, POR FESR Sicilia 2007-2013. DR 3207 del 30/09/2015. Responsabile scientifico Prof. Baldassare Portolano

•Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio

• Qualifica conseguita

• Date (da – a)

• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

•Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio

• Qualifica conseguita

• Date (da – a)

• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

•Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio

• Qualifica conseguita

• Date (da – a)

• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

•Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio

• Qualifica conseguita

• Date (da – a)

• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

•Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio

• Qualifica conseguita

• Date (da – a)

• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

•Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio

• Qualifica conseguita

Messa a punto di protocolli di resequencing e target sequencing per lo studio di regioni di interesse del genoma ovino e bovino per i principali caratteri legati alla resistenza alle patologie di maggiore interesse zoeconomico.

BORSISTA

01/01/2011 – 31/12/2013

Ministero dell'Istruzione, dell'Università e della Ricerca, Dipartimento Scienze Agrarie e Forestali, Università degli Studi di Palermo.

Applicazione di marcatori molecolari nello studio della biodiversità zootecnica siciliana. The application of molecular markers to investigate genetic diversity in Sicilian livestock.

Dottore di Ricerca- PhD in Animal breeding and Genetics

18/01/13 – 23/07/13

Instituto Nacional de Investigación y Tecnología Agraria y Alimentaria – INIA, Departamento de Mejora Genética Animal, Madrid - Spagna

Studio della struttura genetica in razze bovine siciliane tramite SNP's genotyping array.

Dottorato di Ricerca, soggiorno estero – Programma LLP, Placement.

GIUGNO 2012 – NOVEMBRE 2012

Consorzio Regionale di Ricerca Bioevoluzione Sicilia (BES), Santa Margherita di Belice (Ag)

Genotipizzazione di bovini e ovini autoctoni siciliani con Bovine SNP50 e OvineSNP50 Genotyping BeadChip.

Stage

APRILE 2010 – AGOSTO 2010

Consorzio Regionale di Ricerca Bioevoluzione Sicilia (BES), Santa Margherita di Belice (Ag)

Studio della biodiversità autoctona ovi-caprina tramite l'utilizzo di marcatori molecolari (Microsatelliti e SNPs) e gestione dei risultati.

Stage

A.A. 2006-2007 - A.A. 2008-2009

Facoltà di Agraria, Università degli studi di Palermo

Botanica applicata, Fisiologia vegetale applicata, Zootecnia biologica, Patologia applicata, Ecologia, Arboricoltura Speciale e Tropicale, Chimica degli alimenti, Qualità delle produzioni agricole, Idraulica agraria, Economia e Politica agraria, Scienza del suolo, Genetica Animale, Agronomia applicata, Acarologia e difesa integrata, Coltivazioni erbacee.

Laurea Specialistica in SCIENZE E TECNOLOGIE AGRARIE classe 77/S, con voti 110/110 e lode

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio

- Qualifica conseguita

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie/abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita

MADRELINGUA

GENNAIO 2009 – OTTOBRE 2009

Dipartimento S.EN.FI.MI.ZO. - Facoltà di Agraria - Università degli Studi di Palermo

Analisi di biologia molecolare: estrazione e quantificazione acidi nucleici, PCR, elettroforesi, sequenziamento.

Stage

13/11/2007 AL 30/06/2008

Associazione POLITEA, forward training, Ente di formazione professionale

Cartografia, topografia, geologia, scienze naturali, antropologia, pedologia, mineralogia, botanica, chimica, zoologia, climatologia, ecologia, pianificazione.

Agente per il monitoraggio ambientale - Qualifica Professionale Post-laurea (n° 800 ore)

SETTEMBRE 2006 – FEBBRAIO 2007

Dipartimento S.EN.FI.MI.ZO. - Facoltà di Agraria - Università degli Studi di Palermo

Determinazione delle caratteristiche qualitative di latte ovino e bufalino e di alimenti per uso zootecnico.

Tirocinio pratico-applicativo

A.A. 2003-2004 - A.A. 2005-2006

Facoltà di Agraria, Università degli Studi di Palermo

Matematica, Fisica, Botanica generale e sistematica, Chimica (organica, inorganica e del suolo), Zootecnia, Patologia vegetale, Arboricoltura generale e speciale, Orticoltura e Floricoltura, Fisiologia vegetale, Idraulica agraria, Economia ed Estimo rurale, Entomologia, Coltivazioni erbacee, Agronomia, Genetica agraria.

Laurea triennale in SCIENZE E TECNOLOGIE AGRARIE con voti 110/110 e lode

A.A. 1998/1999 - A.A. 2002-2003

Liceo scientifico Mauro Picone di Lercara Friddi

Matematica, Fisica, Chimica, Biologia, Storia, Italiano, Filosofia, Latino, Storia dell'Arte e disegno, Lingua francese

Diploma scuola media superiore con voti 100/100

ITALIANA

ALTRE LINGUA

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

ALTRE LINGUA

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI

Vivere e lavorare con altre persone, in ambiente multiculturale, occupando posti in cui la comunicazione è importante e in situazioni in cui è essenziale lavorare in squadra (ad es. cultura e sport), ecc.

CAPACITÀ E COMPETENZE ORGANIZZATIVE

Ad es. coordinamento e amministrazione di persone, progetti, bilanci; sul posto di lavoro, in attività di volontariato (ad es. cultura e sport), a casa, ecc.

CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE

Con computer, attrezzature specifiche, macchinari, ecc.

ALTRE CAPACITÀ E COMPETENZE.

Inglese

BUONO

SUFFICIENTE

SUFFICIENTE

Spagnolo

BUONO

SUFFICIENTE

SUFFICIENTE

OTTIME CAPACITÀ DI INTERAGIRE, COMUNICARE E COOPERARE IN GRUPPO, MATURE DURING SVARIATI PROGETTI IN AMBITO SCOLASTICO E LAVORATIVO. MANTENENDO RAPPORTI CON DOCENTI, IMPRENDITORI, STUDENTI E COLLEGHI, HO AVUTO MODO DI AMPLIARE LE MIE CAPACITÀ RELAZIONALI. OTTIME CAPACITÀ DI INTEGRAZIONE NELLO STILE DI VITA E NELLA FORMA DI LAVORO IN PAESI ESTERI, MATURATA DURANTE IL PERIODO DI ERASMUS PLACEMENT.

BUONE COMPETENZE ORGANIZZATIVE SVILUPPATE NEL CORSO DELL'ATTIVITÀ DI TIROCINIO PRESSO L'UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI PALERMO E L'ATTIVITÀ DI STAGE PRESSO IL CONSORZIO BIO-EVOLUZIONE SICILIA (BES). BUONE CAPACITÀ DI COORDINAMENTO ED AMMINISTRAZIONE MATURE DURING L'ATTIVITÀ DI TUTOR E DI CORRELATORE DI TESI DI LAUREA.

HO PARTECIPATO ALL'ELABORAZIONE DI PROGETTI DI RICERCA (PON RICERCA, PSR).

COMPETENZE ACQUISITE DURING IL LAVORO DI TESI SPERIMENTALE E DI DOTTORATO: UTILIZZO DI TERMOCICLATORI, PIASTRE ELETTROFORETICHE, SEQUENZIATORE E ATTREZZATURE VARIE UTILIZZATE NEI LABORATORI DI BIOLOGIA MOLECOLARE.

USO DEL PERSONAL COMPUTER: CONOSCENZA DEI PRINCIPALI SISTEMI OPERATIVI (WINDOWS 2000, XP) E DEI PRINCIPALI APPLICATIVI: VIDEOSCRITTURA E FORMATTAZIONE TESTO (WORD), CARICAMENTO E ANALISI DATI (EXCEL), GRAFICA E VIDEO-PRESENTAZIONE (POWERPOINT). UTILIZZO DI SOFTWARE PER LE APPLICAZIONI E GLI STUDI NEL CAMPO DELLA GENETICA ANIMALE.

CONTROLLI FUNZIONALI IN OVINI E CAPRINI PER LA PRODUZIONE DI LATTE.

PATENTE O PATENTI

B

Abilitato all'esercizio della libera professione di Agronomo Senior
nell'anno 2010

Tesi laurea specialistica: “Studio dei polimorfismi della regione promoter della beta-lattoglobulina in razze ovine allevate in Sicilia”.

Tesi laurea di primo livello: “Il Benessere animale nelle bovine da latte”.

ATTIVITÀ DIDATTICA-SUSSIDIARIA

A.A. 2011-2012 – ottobre 2011-novembre 2011

Università degli Studi di Palermo, Facoltà di Agraria, corso di laurea in Scienze e Tecnologie Agrarie, modulo di Zootecnia Generale: Attività didattico-integrativa e sussidiaria per lo svolgimento di n° 6 ore di lezioni frontali sulla “La Biodiversità zootecnica siciliana”.

A.A. 2012-2013 – ottobre 2012-novembre 2012

Università degli Studi di Palermo, Facoltà di Agraria, corso di laurea in Scienze e Tecnologie Agrarie, modulo di Zootecnia Generale: Attività didattico-integrativa e sussidiaria per lo svolgimento di n° 6 ore di lezioni frontali sulla “Tutela della Biodiversità zootecnica siciliana”.

A.A. 2013-2014 – ottobre 2013-dicembre 2013

Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie e Forestali, corso di laurea in Scienze e Tecnologie Agrarie, modulo di Zootecnia Generale: Attività didattico-integrativa e sussidiaria per lo svolgimento di n° 6 ore di lezioni frontali sulla “Applicazione di biotecnologie molecolari per la caratterizzazione della Biodiversità zootecnica siciliana”.

A.A. 2014-2015 – ottobre 2014-dicembre 2014

Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie e Forestali, corso di laurea in Scienze e Tecnologie Agrarie, modulo di Zootecnia Generale: Attività didattico-integrativa e sussidiaria per lo svolgimento di n° 10 ore di lezioni frontali.

A.A. 2015-2016 – ottobre 2015-dicembre 2015

Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie e Forestali, corso di laurea in Scienze e Tecnologie Agrarie, modulo di Zootecnia Generale: Attività didattico-integrativa e sussidiaria per lo svolgimento di n° 10 ore di lezioni frontali.

A.A. 2018-2019 – ottobre 2018-dicembre 2018

Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie, Alimentari e Forestali, corso di laurea in Scienze e Tecnologie Agrarie, modulo di Zootecnia Generale: Attività didattico-integrativa e sussidiaria per lo svolgimento di n° 20 ore di lezioni frontali.

UNIVERSITÀ DI PISA, DIP. Scienze Veterinarie

Svolgimento di un seminario dal titolo: “Applicazioni genomiche per la gestione e la valorizzazione della biodiversità zootecnica locale” della

durata di 2 ore, nell'ambito del Modulo di "Biotecnologie Genetiche del Corso di Laurea magistrale in "Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali".

Dal 2016 Socio aggregato dell'Associazione per la Scienza e le Produzioni Animali e componente della Commissione di Studio "Adattabilità dei sistemi zootecnici ai cambiamenti climatici.

Culture della materia, a.a. 2015/2016 – 2016/2017, 2017/2018
Zootecnia Generale e miglioramento genetico, AGR/17

Attività di tutoraggio e assistenza, nella forma di correlatore, delle seguenti tesi di laurea:

La tracciabilità di filiera come mezzo di tutela delle produzioni zootecniche (a.a. 2010-2011).

Caratterizzazione al locus dell'*as1*-caseina nella razza caprina Girgentana (a.a. 2011-2012) (Marco Pizzuto).

Studio della struttura genetica nelle razze ovine allevate in Sicilia mediante l'uso di marcatori microsatelliti (a.a. 2011-2012) (Antonino Sutura).

Struttura degli aplotipi caseinici nella razza caprina Girgentana (a.a. 2014-2015) (Domenico Tumminello).

Studio della struttura genetica nelle razze bovine autoctone siciliane mediante marcatori molecolari (a.a. 2014-2015) (Marco Cascio).

Produzione quanti-qualitativa di latte nella razza caprina Girgentana (a.a. 2015-2016) (Ilaria Rizzuto).

Struttura e diversità genetica della razza caprina Girgentana (a.a. 2015-2016) (Giuseppe Mingoia).

Studio della struttura genetica delle razze ovine autoctone siciliane (a.a. 2015-2016) (Angelo De Marco).

Analisi delle sequenze di omozigosi (ROH) nella razza ovina Valle del Belice (a.a. 2015-2016) (Diego Collura).

Applicazione delle tecnologie genomiche per la salvaguardia della biodiversità zootecnica: un caso studio nella razza ovina Barbaresca (a.a. 2016-2017) (Jasmine Chowdhury).

Valutazione dello stato di conservazione della razza caprina Girgentana mediante tecnologie genomiche (a.a. 2017-2018) (Gloria Incannella).

Studio genome-wide della variabilità genetica nella razza Suino Nero Siciliano (a.a. 2018-2019) (Alberto Sanzarello).

Identificazione delle basi genetiche coinvolte nella differenziazione del colore del mantello nella razza bovina Cinisara (a.a. 2018-2019) (Pietro Lupo).

Identificazione delle regioni genomiche potenzialmente coinvolte nella diversità fenotipica nella razza ovina Pinzirita (a.a. 2018-2019) (Ilenia Cannatella).

Identificazione di regioni genomiche coinvolte nella differenziazione fenotipica tra diverse popolazioni bovine di ceppo brown (a.a. 2020-2021) (Federica Carta).

Indagine genetica e di mercato su una popolazione caprina locale (a.a. 2022-2023) (Federica Carta).

Ho svolto attività di revisione di lavori scientifici per le seguenti riviste: Animal, Animals, Animal Biology, Animal Biotechnology, Animal Genetics, Annals of Animal Science, BMC Genetics, BMC Genomics, Conservation Genetics, Frontiers in Genetics, Genetics and Molecular Biology, Gene, Genetics Selection and Evolution, Livestock Science, Journal of Animal Breeding and Genetics, Journal of Animal Science, Journal of Dairy Science, PloS One.

Associate Editor della rivista FRONTIERS IN GENETICS per Livestock Genomics (da Giugno 2022)
<https://loop.frontiersin.org/people/554228/overview>

Section Editor della rivista ANIMALS (da luglio 2022)
https://www.mdpi.com/journal/animals/sectioneditors/Animal_Genetics_and_Genomics

RESPONSABILITÀ SCIENTIFICA DEI SEGUENTI PROGETTI:

1. Progetto PRIN PNRR 2022 - Genomic study of the resilience background in Mediterranean sheep breeds (**GEREMES**), Cod. Progetto P2022T8YCT. Responsabile di Unità.
2. SPOKE 7, AGRITECH - Valorizzazione del germoplasma Ovino mediante tecniche Omiche per il miglioramento della qualità della Lana (**VOOL**). Responsabile scientifico

Membro della Commissione AQ-Ricerca del Dipartimento SAAF per il triennio 2024/2025, 2025/2026, 2026/2027

PARTECIPAZIONE SCIENTIFICA COME COLLABORATORE ALLA RICERCA AI SEGUENTI PROGETTI:

- 1) PON01_02249 “Applicazione di biotecnologie molecolari e microrganismi protecnologici per la caratterizzazione e valorizzazione delle filiere lattiero-casearia e prodotti da forno di produzioni tipiche” CUP B11C11000430005. Responsabile: Prof. Baldassare Portolano.
- 2) Misura 124 del PSR Sicilia 2007-2013: Riqualficazione delle imprese del settore lattiero-caseario, tramite applicazioni biomolecolari e bioinformatiche di tracciabilità e di rintracciabilità dei prodotti per la sicurezza alimentare e di una filiera tipica della razza caprina Girgentana” CUP: G66D11000030009. Responsabile: Prof. Baldassare Portolano.
- 3) P.O FESR Sicilia 2007/2013 Attività produttive, linea di intervento 4.1.1.2 del progetto “Applicazioni biotecnologiche e bioinformatiche per la tracciabilità e sicurezza alimentare delle produzioni carnee siciliane”. Responsabile: Prof. Baldassare Portolano.
- 4) PON02_00451_3133441: PROFOOD – “Valorizzazione delle produzioni lattiero-casearie siciliane, mediante applicazioni biomolecolari, chimiche e nutri genomiche” CUP B61C1200076005. Responsabile: Prof. Baldassare Portolano.

- 5) AGRIVET- DDG 1753/53 Centro per l'innovazione dei sistemi di qualità, tracciabilità e certificazione dell'agro-alimentare. Assessorato Attività Produttive. Responsabile: Prof. Baldassare Portolano.
- 6) Approccio integrato per lo sviluppo di prodotti innovativi nei settori trainanti del comparto agroalimentare siciliano” F/050267/03/X32 COR 109494, Asse I, azione 1.1.3. del Programma Operativo Nazionale “Imprese e competitività” 2014-2020 FESR
- 7) Progetto LEO: Livestock Environment Opendata - Piattaforma Opendata per la Zootecnia (Reg UE 1305/2013- Programma di Sviluppo Rurale Nazionale 2014/2020. Sottomisura: 16.2 - “Sostegno a progetti pilota e allo sviluppo di nuovi prodotti, pratiche, processi e tecnologie. Tipologia di operazione: Cooperazione per la creazione di un sistema di gestione unitario delle informazioni per la biodiversità zootecnica) – Codice Progetto U-GOV PRJ-0185
- 8) Progetto Corial, Conservazione Risorse Animali Locali. PSR Sicilia 14/20 – Operazione 10.2b “Conservazione delle risorse genetiche animali in agricoltura”. Codice Progetto IRIS PRJ-0717. Responsabile: Prof.ssa Maria Teresa Sardina
- 9) Valorizzazione e PROMozione di formaggi ovini siciliani tramite il TrasfErimento dell'INnovazione per il miglioramento della qualità e delle caratteristiche commerciali (PROTEIN), PSR SICILIA 14/22 - SOTTOMIS.16.1.
- 10) LEO.PROSECUZIONE: continuità operativa del progetto LEO finanziato ai sensi della sottomisura 16.2 del PSRN 2014-2022 per la realizzazione di una banca dati open in materia zootecnica.

BREVETTO

Partecipazione come inventore al brevetto RBI14686-IT dal titolo "Metodo per l' autenticazione di prodotti alimentari lattiero-caseari mediante analisi di polimorfismi a singolo nucleotide" con scheda riepilogativa di deposito presso il MISE rilasciata da Cantaluppi & Partners S.r.l., Roma.

Autori: Baldassare Portolano, Salvatore Mastrangelo, Marco Tolone, Maria Teresa Sardina, Rosalia Di Gerlando, Marcello Chiodi, Gianluca Sottile. Brevetto N. 102016000104381

dal 18-10-2016

ABILITAZIONE SCIENTIFICA NAZIONALE per le funzioni di professore di I e II Fascia, 07/G1 “Scienze e tecnologie Animali”.

Dal 06/08/2018 al 06/08/2027 (II fascia)

Dal 09/06/2021 al 09/06/2030 (I fascia)

PARTECIPAZIONE A SEMINARI, CORSI E WORKSHOP

- Seminario di miglioramento genetico. UNISS – University of Georgia, 7 settembre 2021.
- Corso di Sicurezza, generale e specifica, erogato ai sensi dell'art. 37, D.Lgs 81/2008, Università di Palermo, 10-11 ottobre 2018.
- qPCR Basic Training, 17 dicembre 2015, Palermo.

TUTOR PER IL
TIROCINIO PRATICO
APPLICATIVO

- Corso di analisi statistica di base per le scienze zootecniche. Associazione Scientifica Produzioni Animali. Dipartimento di Scienze Agrarie, Alimentari e Agro-ambientali. Pisa, 14-18 settembre 2015.
- Workshop ReColAd, Pargi, 11-12 Febbraio 2015. International network on adaptation of livestock to the consequences of climate change.
- Alimenti, salute e sicurezza: Il progetto Pl.A.S.S. Università degli Studi di Palermo, 24-25 Novembre 2014.
- Infinium Training Illumina, 19-21 Settembre 2012.
- 7th International Summer School on advanced Biotechnology, Santa Margherita di Belice (Ag), 10-12 Settembre 2012.
- 16th QTL-MAS workshop 24-25 Maggio 2012- Alghero (SS).
- Basic statistical data analysis “Description of samples and hypotheses testing”. Palermo, 18-22 Aprile 2011. Prof. Eric Wajnberg, INRA, Sophia Antipolis, France.
- 5th International Summer School on advanced Biotechnology, Santa Margherita di Belice, 31 Agosto- 4 Settembre 2010.
- La validazione dei metodi chimici, Consorzio BES, Santa Margherita di Belice, 8 Ottobre 2009.
- Genome discovery: from Real Time PCR to Genetic Analyzer Platforms, Applied Biosystems Italia, Palermo, 4 Febbraio 2009.
- II Animal Genetics Workshop – Genetic improvement methods in small populations. A ‘GoMilkSicily’ Workshop Transfer of Knowledge-Development. 23-24 gennaio 2008 – Palermo, Italy.

2022 Sparacino Alessio

2023 Riccardo Mazzurco Masi

2024 Ferdinando Fanara

2024 Martina Marfia

2024 Martina Monti

**PARTECIPAZIONE E
PRESENTAZIONE A
CONVEGNI
DIVULGATIVI**

- 1) Palermo, 13-03-2014. Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie e Forestali. Progetto *disolaGirgentana*. Relazione dal titolo “La qualità del latte di capra Girgentana per la valorizzazione delle produzioni lattiero-casearie”.
- 2) Palermo, 21-03-2015. Biodiversità alimentare della Sicilia in Fiera. Orto Botanico. Relazione dal titolo: “Valorizzazione e tracciabilità delle produzioni lattiero-casearie”.
- 3) Catania, 26-01-2017. Smart Science - Relazione dal titolo “Le tecnologie high-throughput per la gestione delle popolazioni zootecniche locali: esempi applicativi”.
- 4) Matera, 19-20 settembre 2019. IL LABORATORIO AL SERVIZIO DELL’ALLEVATORE: INNOVAZIONI E APPLICAZIONI. Relazione dal titolo” Tecnologie genomiche per la tutela dei prodotti lattiero-caseari e la conservazione delle razze locali: dalla ricerca di base alle potenziali applicazioni. Primi risultati sulla Vastedda della Valle del Belice DOP”.
- 5) Sassari, 1-2 Luglio 2021. II CONVEGNO AISSA under 40. Partecipazione come *invited* alla tavola rotonda dal titolo “Sostenibilità dei sistemi agrari e forestali”. Genetica, zootecnia e cambiamenti climatici.
- 6) Militello In Val Di Catania, 04-07-2021. TENUTA AMBELIA. LA BIODIVERSITA’ ANIMALE (PSR Mis. 10.2 B) - Il Patrimonio Autoctono Siciliano, Conoscenza, Salvaguardia e Valorizzazione. “Corial” Conservazione delle risorse animali locali.
- 7) Mussomeli, 02-09-2021. Seminario dal titolo: “Il benessere degli animali da allevamento in Sicilia”.
- 8) Militello In Val Di Catania, 21-05-2022. TENUTA AMBELIA. LA BIODIVERSITA’ ANIMALE (PSR Mis. 10.2 B) - Biodiversità Animale e Zootecnia di Sicilia. “Corial” Conservazione delle risorse animali locali.
- 9) Enna, 27-06-22. Relazione dal titolo “Scenari Futuri per il settore Zootecnico”. Coldiretti.
- 10) Mussomeli, 02-09-2023. Workshop “*Nuove tecnologie per le produzioni lattiero-casearie ovine*”
- 11) Alia, SiciliAlleva, 07-10-2023. Relazione dal titolo “Ruolo e prospettive della ricerca di base, industriale e sviluppo sperimentale nel settore della genetica, genomica e microbiologia per la gestione e valorizzazione della biodiversità zootecnica regionale”
- 12) Palermo, 30-10-2024. Università degli Studi di Palermo, Dipartimento Scienze Agrarie, Alimentari e Forestali. Convegno: “Interventi per la mitigazione degli effetti del cambiamento climatico in agricoltura: dalle risorse genetiche all’innovazione tecnologica” Relazione dal titolo: “Il ruolo della genomica e della biodiversità zootecnica per fronteggiare i cambiamenti climatici”.
- 13) San Giovanni Gemini, 19-05-2025. Progetto Nazionale Task force Agricoltura. L’uso della biodiversità zootecnica per fronteggiare il cambiamento climatico.

RICONOSCIMENTI

Inserito nella **World's Top 2% Scientist** per l'anno **2021, 2022 e 2023**, la classifica mondiale dei ricercatori con livello più elevato di produttività scientifica elaborata dalla **Stanford University (John Ioannidis, Plos Biology settembre 2022)**.

Abstract di Comunicazioni orali (C) o Poster (P) a Congressi Nazionali ed Internazionali

1. M. Carlentini, S. Tumino, G. Chessari, **S. Mastrangelo**, A. Criscione, D. Marletta, S. Bordonaro (2025). Characterization of heterozygosity-rich regions in Sicilian horse breeds. 2nd International Conference on Mediterranean Biodiversity. Perugia, June 3-6. O
2. S. Tumino, A. Criscione, M. Carlentini, G. Chessari, A. Antoci, **S. Mastrangelo**, S. Di Bella, G. Cammilleri, S. Bordonaro, D. Marletta (2025). Genomic insights into runs of homozygosity and heterozygosity of Sicilian cattle breeds. 2nd International Conference on Mediterranean Biodiversity. Perugia, June 3-6. O
3. **S. Mastrangelo**, B. Portolano, M. T. Sardina (2024) COnservazione delle RIorse genetiche Animali Locali: il progetto Co.Ri.A.L. XXV Congresso nazionale SIPAOC, Sassari 17-20 settembre 2024. **P**
4. A. Criscione, S. Ben Jemaa, G. Chessari, S. Riggio, S. Tumino, G. Cammilleri, A. Lastra, M. T. Sardina, B. Portolano, S. Bordonaro, A. Cesarani, **S. Mastrangelo** (2024). Identificazione delle firme di selezione nella razza caprina Girgentana. XXV Congresso nazionale SIPAOC, Sassari 17-20 settembre 2024. **C**
5. G. Chessari, A. Criscione, M. T. Sardina, S. Riggio, F. Carta, A. Benanti, M. Carlentini, G. Senczuk, B. Portolano, A. Cesarani, **S. Mastrangelo** (2024). Studio della distribuzione dei segmenti di omozigosi ed eterozigosi in tre razze ovine siciliane. XXV Congresso nazionale SIPAOC, Sassari 17-20 settembre 2024. **P**
6. A. Cesarani, **S. Mastrangelo**, G. Senczuk, C. Persichilli, M.T. Sardina, F. Pilla, B. Portolano, N.P.P. Macciotta, C. Dimauro (2024). Uso degli spettri del latte per discriminare l'altitudine di provenienza dei campioni di pecora Sarda. XXV Congresso nazionale SIPAOC, Sassari 17-20 settembre 2024. **C**
7. S. Riggio, M. Tolone, G. Sottile, S. Tumino, B. Portolano, A. M. Sutera, M. T. Sardina, A. Cesarani, **S. Mastrangelo** (2024). Studio di associazione *genome-wide* per l'identificazione di marcatori potenzialmente coinvolti nella resistenza all'infezione da Maedi Visna Virus. XXV Congresso nazionale SIPAOC, Sassari 17-20 settembre 2024. **C**
8. F. Carta, S. Riggio, A. Benanti, B. Portolano, **S. Mastrangelo**, M. T. Sardina (2024). Risultati sulla selezione per la resistenza genetica alla Scrapie nella razza ovina Valle del Belice. Congresso nazionale SIPAOC, Sassari 17-20 settembre 2024. **C**
9. G. Chessari, A. Criscione, A. Cesarani, M. Ablondi, V. Asti, D. Bigi, S. Bordonaro, R. Ciampolini, C. Cipolat-Gotet, M. Congiu, P. De Palo, V. Landi, N. P. P. Macciotta, D. Matassino, B. Portolano, S. Riggio, A. Sabbioni, M. T. Sardina, G. Senczuk, S. Tumino, M. Vasini, E. Ciani, **S. Mastrangelo** (2024). Genome-wide SNP markers from ddRAD reveals the population structure of Italian donkey populations. 75th EAAP Annual Meeting, Florence, Italy, p 297. **C**
10. S. Riggio, M. Tolone, G. Sottile, S. Tumino, B. Portolano, A. M. Sutera, M. T. Sardina, A. Cesarani, **S. Mastrangelo** (2024). Genome-wide approaches reveal novel genetic markers potentially involved with Visna Maedi virus infection in Valle del Belice sheep. 75th EAAP Annual Meeting, Florence, Italy. pag 423. **P**
11. **S. Mastrangelo**, G. Senczuk, A. Cesarani (2024). GEREMES: a project to improve the genomic insight on the resilience background in Mediterranean sheep breeds. 75th EAAP Annual Meeting, Florence, Italy. pag 424. **P**
12. Criscione, S. Ben-Jemaa, G. Chessari, S. Riggio, G. Cammilleri, A. Lastra, A. Cesarani, M. T. Sardina, S. Bordonaro, **S. Mastrangelo** (2024). Selection signature analyses revealed multiple genomic regions associated with milk production in Girgentana breed. 75th EAAP Annual Meeting, Florence, Italy p 424. **P**
13. G. Chessari, P. Reich, A. Criscione, C. Falker-Gieske, **S. Mastrangelo**, S. Tumino, S. Bordonaro, D. Marletta, J. Tetens (2024). Comparison between SNP array and imputed data to estimate population structure in horse breeds. 75th EAAP Annual Meeting, Florence, Italy p

14. S. Tumino, D. Marletta, G. Chessari, S. Di Bella, **S. Mastrangelo**, A. Guercio, A. Cesarani, A. Criscione, S. Bordonaro (2024). Genome-wide scan reveals candidate genes related to milk production and adaptive traits in Sicilian cattle breeds. 75th EAAP Annual Meeting, Florence, Italy p 626. **P**
15. C. Persichilli, G. Senczuk, F. Biscarini, **S. Mastrangelo**, E. Ciani, P. Orozco-Terwengel, F. Pilla, M. Barbato (2024). Investigating genomic adaptation to climate in local Mediterranean sheep breeds. 75th EAAP Annual Meeting, Florence, Italy, p 684. **C**
16. L. Falchi, A. Cesarani, A. Criscione, J. Hidalgo, A. Garcia, **S. Mastrangelo**, N. P. P. Macciotta (2024). Effect of genotyping density on the detection of runs of homozygosity and heterozygosity. 75th EAAP Annual Meeting, Florence, Italy, p 801. **C**
17. M. Tolone, S. Riggio, E. Mori, **S. Mastrangelo**, P. Galluzzo, S. Migliore, M. Baratti, G. R. Loria, M. Ferri, M. T. Sardina, F. De Filippi (2024). Genetic structure and hybridization between red and sika deer in northern Italy. 75th EAAP Annual Meeting, Florence, Italy, p 812. **P**
18. G. Chessari, A. Cesarani, M. Ablondi, V. Asti, D. Bigi, S. Bordonaro, R. Ciampolini, E. Ciani, M. Congiu, V. Landi, N.P.P. Macciotta, D. Matassion, F. Pilla, S. Riggio, A. Sabbioni, M.T. Sardina, M. Tolone, S. Tumino, M. Vasini, A. Criscione, **S. Mastrangelo** (2024). First Insights on the Genome-Wide Diversity of Italian Donkey Populations. In: International Plant & Animal Genome - PAG, San Diego, 12-17 January, 2024. **P**
19. A. Da Silva, A. Ahbara, S. Ben Jemaa, Y. Cao, E. Ciani, E. Dzomba, O. Hanotte, **S. Mastrangelo**, A. Missohou, A. Molotsi, A. Muchadeyi, J. Mwacharo, M.-L. Li, S. Hall, J. Lenstra (2023). History and genetic diversity of African sheep: Perpendicular contrasts of phenotypes and genomic diversity. In: Proceedings of the 39th International Conference on Animal Genetics, Cape Town, 2-7 July, South Africa. **P**
20. G. Senczuk, M. Macrì, **S. Mastrangelo**, M. Di Civita, M. del Rosario Fresno, J. Capote, F. Pilla, J. V. Delgado, M. Amills, A. Martínez (2023). Ascertaining the variability and demographic history of the Canarian goat breeds through the use of genome-wide SNPs data. In: Proceedings of the 39th International Conference on Animal Genetics, Cape Town, 2-7 July, South Africa. **P**
21. E. Rannamäe, M. Teasdale, U. Saarma, A. Ärmpalu-Idvand, J. A. Lenstra, E. Ciani, **S. Mastrangelo**, C. Speller (2023). Genetic analysis of ancient and contemporary sheep in Estonia. In: Proceeding 10th International Meeting on Biomolecular Archaeology (ISBA10), Tartu 13-16 September, Estonia. **P**
22. D. Laloë, F. Biscarini, **S. Mastrangelo**, G. Senczuk, C. Persichilli, G. Conte, R. Finocchiaro, J. T. Van Kaam, L. Benzoni, R. Ciampolini, M. Cassandro (2023). Integrative factorial methods to explore the relationships between genotypes, phenotypes and climate in Holstein cows. In: Proceedings 25th ASPA Congress, Monopoli 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 22: Supplement 1, 1-320. DOI: 10.1080/1828051X.2023.2210877. Online ISSN: 1828-051X. **C**
23. S. Ben Jemaaa, M. Tolone, M. T. Sardina, G. Chessari, R. Di Gerlando, B. Portolano, **S. Mastrangelo** (2023). A genome-wide comparison between unselected and selected Valle del Belice sheep reveals selection signatures related to production traits. Proceedings 25th ASPA Congress, Monopoli 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 22: Supplement 1, 1-320. DOI: 10.1080/1828051X.2023.2210877. Online ISSN: 1828-051X. **C**
24. S. Riggio, R. Di Gerlando, M. Tolone, I. Rizzuto, A. Moscarelli, B. Portolano, **S. Mastrangelo**, M. T. Sardina (2023). Maedi visna virus infection and TMEM154 genotypes in Valle del Belice sheep breed. Proceedings 25th ASPA Congress, Monopoli 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 22: Supplement 1, 1-320. DOI: 10.1080/1828051X.2023.2210877. Online ISSN: 1828-051X. **C**
25. M. Tolone, **S. Mastrangelo**, M. T. Sardina, M. L. Scatassa, I. Rizzuto, S. Riggio, A. Moscarelli, B. Portolano (2023). Differential somatic cell count as indicator of intramammary

- infection in dairy sheep. Proceedings 25th ASPA Congress, Monopoli 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 22: Supplement 1, 1-320. DOI: 10.1080/1828051X.2023.2210877. Online ISSN: 1828-051X. **C**
26. G. Chessari, A. Criscione, P. Crepaldi, D. Marletta, B. Portolano, F. Biscarini, **S. Mastrangelo** (2023). Mapping of heterozygosity-rich regions in Italian and worldwide goat populations. Proceedings 25th ASPA Congress, Monopoli 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 22: Supplement 1, 1-320. DOI: 10.1080/1828051X.2023.2210877. Online ISSN: 1828-051X. **C**
 27. A. Moscarelli, G. Chessari, M. Tolone, A. Criscione, A. Zumbo, I. Rizzuto, S. Riggio, V. Macaluso, B. Portolano, M. T. Sardina, **S. Mastrangelo** (2023). Genomic tools for the characterization of the not officially recognized livestock populations: a case study in Mascaruna goat and Pecora Nera sheep from Sicily. Proceedings 25th ASPA Congress, Monopoli 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 22: Supplement 1, 1-320. DOI: 10.1080/1828051X.2023.2210877. Online ISSN: 1828-051X. **C**
 28. F. Biscarini, **S. Mastrangelo**, R. Ciampolini (2023). A genome wide-association study for morphological and hunting performance traits in Braque Français Type Pyrénées dogs. Proceedings 25th ASPA Congress, Monopoli 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 22: Supplement 1, 1-320. DOI: 10.1080/1828051X.2023.2210877. Online ISSN: 1828-051X. **C**
 29. M. Ablondi, V. Astia, D. Bigi, S. Bordonaro, A. Cesarani, R. Ciampolini, E. Ciani, M. Congiu, A. Criscione, V. Landi, N.P.P. Macciotta, D. Matassino, F. Pilla, B. Portolano, L. Rillo, A. Sabbioni, M. T. Sardina, S. Tumino, M. Vasini, **S. Mastrangelo** (2023). A first overview on genome-wide diversity of Italian donkey populations. Proceedings 25th ASPA Congress, Monopoli 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 22: Supplement 1, 1-320. DOI: 10.1080/1828051X.2023.2210877. Online ISSN: 1828-051X. **P**
 30. G. Chessari, S. Bordonaro, M. Tolone, I. Rizzuto, S. Riggio, A. Moscarelli, A. Criscione, V. Macaluso, B. Portolano, M. T. Sardina, **S. Mastrangelo** (2023). Genome-wide analyses elucidate the population structure of Noticiana sheep breed in the Mediterranean context. Proceedings 25th ASPA Congress, Monopoli 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 22: Supplement 1, 1-320. DOI: 10.1080/1828051X.2023.2210877. Online ISSN: 1828-051X. **P**
 31. M. Tolone, M.T. Sardina, E. Lasagna, A. Criscione, I. Rizzuto, S. Riggio, A. Moscarelli, V. Macaluso, R. Di Gerlando, B. Portolano, M. Cassandro, **S. Mastrangelo** (2023). High-resolution genomic analysis of Sicilian chicken populations. Proceedings 25th ASPA Congress, Monopoli 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 22: Supplement 1, 1-320. DOI: 10.1080/1828051X.2023.2210877. Online ISSN: 1828-051X. **P**
 32. **S. Mastrangelo**, S. Ben-Jemaa, F. Cendron, F. Perini, E. Lasagna, M. Penasa, M. Cassandro (2022). Genome-wide scan for selection signatures in Italian local chicken breeds. In Proceedings of VII Mediterranean Poultry Summit, Cordoba -Spain - 08-10 June. (P2-19, ID: 130229). **P**
 33. G. Chessari, **S. Mastrangelo**, S. Tumino, G. Senczuk, S. Chessa, B. Castiglioni, S. Bordonaro, D. Marletta and A. Criscione (2022). Comparative genome-wide study on autochthonous Nero Siciliano pig breed. In: Book of Abstracts of the 73th Annual Meeting of the European Federation of Animal Science, p 648, Porto, 4-9 September. **C**
 34. S. Tumino, A. Criscione, **S. Mastrangelo**, E. D'alessandro, G. Chessari, R. Di Gerlando, A. Zumbo, D. Marletta and S. Bordonaro (2022). Genomic diversity and structure of three autochthonous horse populations. In: Book of Abstracts of the 73th Annual Meeting of the European Federation of Animal Science, p 380, Porto, 4-9 September. **C**
 35. L. Falchi, **S. Mastrangelo**, A. Cesarani, G. Senczuk, B. Portolano, F. Pilla, N.P. P.Macciotta (2022). Analysis of Runs of Homozygosity of cattle living in different climate zones. In Proceedings of the 12th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production, Rotterdam 3-8 July. **C**

36. I. Baazaoui, E. Ciani, **S. Mastrangelo**, S. Bedhiaf-Romdhani (2022). Global and local genome ancestry reveals signal of Merinization in Noire de Thibar sheep. In Proceedings of the 12th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production, Rotterdam 3-8 July. **C**
37. F. Cendron, F. Perini, **S. Mastrangelo**, E. Lasagna, M. Cassandro (2022). Assessing of Runs of Homozygosity in indigenous poultry breeds of the Veneto region. VII Mediterranean Poultry Summit, Cordoba -Spain - 08-10 June. **C**
38. C. Persichilli, G. Senczuk, F. Biscarini, **S. Mastrangelo**, E. Ciani, F. Pilla, P. Orozco-terWengel (2022). Looking for genomic adaptation in local Mediterranean sheep breeds. In: International Plant & Animal Genome XXIX. **P**
39. S. Ben-Jemaa, R. Ciampolini, G. Catillo, M. Boussaha, **S. Mastrangelo** (2021). Genome-wide search of distinctiveness selection signatures in Maremmana cattle compared to Italian Podolian-derived breed. In: Proceedings 24th ASPA Congress, Padova 21-24 September, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 20: Supplement 1, 1-236. ISSN: 1828-051X. **C**
40. M. Tolone, D. Giosa, R. Di Gerlando, A. M. Sutura, A. Moscarelli, I. Rizzuto, B. Portolano, **S. Mastrangelo** (2021). Whole-genome resequencing reveals specific genomic variants in Italian insular sheep breeds. In: Proceedings 24th ASPA Congress, Padova 21-24 September, Italy. Italian Journal of Animal Science, vol. 20: Supplement 1, 1-236. ISSN: 1828-051X. **C**
41. M.T. Sardina, R. Di Gerlando, **S. Mastrangelo**, M. Tolone, A. Moscarelli, A. M. Sutura, B. Portolano (2021). Parentage reconstruction using microsatellite markers in Valle del Belice sheep breed. In: Proceedings 24th ASPA Congress, Padova 21-24 September, Italy, Italian Journal of Animal Science, vol. 20: Supplement 1, 1-236. ISSN: 1828-051X. **P**
42. R. Ciampolini, L. Flori, G. Senczuk, **S. Mastrangelo**, M. Cassandro, F. Pilla (2021). Genomic analyses for adaptation of Italian cattle breeds: preliminary results. The BOVITA project. In: Proceedings 24th ASPA Congress, Padova 21-24 September, Italy, Italian Journal of Animal Science, vol. 20: Supplement 1, 1-236. ISSN: 1828-051X. **P**
43. **S. Mastrangelo**, E. Ciani, S. Ben Jemaa, G. Sottile, B. Portolano, F. Pilla, BOVITA Consortium (2019). The Italian cattle breeds in a worldwide context for a genome-wide diversity study. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **C**
44. R. Ciampolini, L. Flori, K. Moazami-Goudarzi, **S. Mastrangelo**, Progetto BOVITA, F. Pilla, M. Cassandro (2019). Genomic Adaptation of Local Cattle Breeds in the Alpine Massif. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **C**
45. E. Ciani, **S. Mastrangelo**, K. Zoubeyda, M. Imane, A. Criscione, S. Kusza, T. Karsli, S. Bachir S. Gaouar, R. Lucchini, F. Pilla, Bovita Consortium (2019). Twenty shades of grey. Combined analysis of genome wide SNP data in steppe cattle and in Mediterranean grey cattle shed new light on the molecular bases of coat colour. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **C**
46. M. T. Sardina, **S. Mastrangelo**, M. Tolone, A. M. Sutura, A. Moscarelli, B. Portolano, R. Di Gerlando (2019). Copy Number Variations in Sicilian goat breeds inferred from GoatSNP50 BeadChip. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **C**
47. R. Di Gerlando, M. T. Sardina, A. M. Sutura, M. Tolone, B. Portolano, **S. Mastrangelo** (2019). Identification of copy number variations in Sicilian sheep breeds. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **C**
48. F. Bertolini, G. Schiavo, **S. Mastrangelo**, S. Bovo, H. Kazemi, S. Dall'Olio, B. Portolano, L. Fontanesi (2019). Selection signature analyses identify genomic regions highlighting the traditional role of the autochthonous Reggiana cattle breed in the Parmigiano Reggiano cheese production system. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **P**
49. **S. Mastrangelo**, G. Sottile, M. T. Sardina, A. M. Sutura, M. Tolone, R. Di Gerlando, B.

- Portolano (2019). Genome-wide analysis identifies a new potential candidate marker associated with the coat color sidedness in Cinisara cattle breed. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **P**
50. **S. Mastrangelo**, R. Di Gerlando, M. T. Sardina, A. M. Sutura, M. Tolone, P. Crepaldi, B. Portolano (2019). Genome-wide characterization of runs of homozygosity and estimation of genomic inbreeding in Sicilian goat breeds. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **P**
 51. M. Cortellari, F. Galluzzo, A. Negro, A. Talenti, S. Frattini, **S. Mastrangelo**, G. Minozzi, F. Pilla, G. Pagnacco, P. Crepaldi (2019). Cabannina: genomic characterization of a local Italian breed. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **P**
 52. R. Di Gerlando, **S. Mastrangelo**, M. T. Sardina, B. Portolano, R. Ciampolini (2019). Identification of Copy Number Variants in Braque Français type Pyrénées”dog using CanineHD array. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **P**
 53. M. Tolone, A. M. Sutura, M. T. Sardina, R. Di Gerlando, **S. Mastrangelo**, B. Portolano (2019). A genome wide association study for somatic cell count in dairy sheep. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **P**
 54. M. Cortellari, A. Negro, A. Talenti, S. Frattini, **S. Mastrangelo**, F. Pilla, P. Ajmone-Marsan, P. Crepaldi (2019). Genomic meat traceability: from breeders to consumers. In: Proceedings 23rd ASPA Congress, Sorrento 11-14 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 18: Supplement 1. ISSN: 1828-051X. **P**
 55. **S. Mastrangelo**, G. Sottile, A.M. Sutura, R. Di Gerlando, M. Tolone, A. Moscarelli, M.T. Sardina, B. Portolano (2018). Studio di associazione genome-wide per l’identificazione del locus responsabile della microtia nella razza ovina Valle del Belice. XXIII Congresso Nazionale SIPAOC, Napoli 12-14 Settembre 2018, p 71. ISBN 978-88-909777-2-5. **C**
 56. R. Di Gerlando, A.M. Sutura, M.T. Sardina, M. Tolone, B. Portolano, **S. Mastrangelo** (2018). Studio di associazione genome-wide tra CNV e parametri qualitativi del latte nella razza ovina Valle del Belice. XXIII Congresso Nazionale SIPAOC, Napoli 12-14 Settembre 2018, p 49. ISBN 978-88-909777-2-5. **C**
 57. A.M. Sutura, V. Riggio, R. Pong-Wong, **S. Mastrangelo**, R. Di Gerlando, M.T. Sardina, M. Tolone, B. Portolano (2018). Studio di associazione genome-wide per i caratteri legati alla produzione di latte nella razza ovina Valle del Belice utilizzando le misure ripetute. XXIII Congresso Nazionale SIPAOC, Napoli 12-14 settembre 2018, p 103. ISBN 978-88-909777-2-5. **C**
 58. R. Di Gerlando, **S. Mastrangelo**, A.M. Sutura, M. Tolone, B. Portolano, M.T. Sardina (2018). Identificazione genome-wide delle “copy number variations” nella razza caprina Girgentana. XXIII Congresso Nazionale SIPAOC, Napoli 12-14 Settembre 2018, p 129. ISBN 978-88-909777-2-5. **P**
 59. I. Baazaoui, E. Ciani, **S. Mastrangelo**, M. Ben Sassi, S. Bedhief (2018). SNP based genetic diversity and structure of sheep population in Tunisia. In: Book of Abstracts of the 69th Annual Meeting of the European Federation of Animal Science, p 311, Dubrovnik, 27-31. **P**
 60. **S. Mastrangelo**, F. Biscarini, M. Tolone, R. Ciampolini (2018). Caratterizzazione genetica della razza Bracco Francese ed analisi comparative con le principali razze canine. XII Convegno Nazionale Biodiversità, Teramo 13-15 Giugno 2018, pp 111-113. **C**
 61. **S. Mastrangelo**, F. Pilla, Progetto BOVITA (2018). Caratterizzazione genomica delle razze bovine autoctone italiane. XII Convegno Nazionale Biodiversità, Teramo 13-15 Giugno 2018, p113. **C**
 62. I. Baazaoui, **S. Mastrangelo**, M. Ben Sassi, S. Bedhief Romdhani, E. Ciani (2018). Diversità genetica di ovini tunisini in un contesto internazionale. XII Convegno Nazionale Biodiversità,

Teramo 13-15 Giugno 2018, pp 119-120. C

63. I. Baazaoui, **S. Mastrangelo**, A. Ahbara, F. Almathen, M. Al Abri, O. Hanotte, J. M. Mwacharo, F. Pilla, B. Moioli, E. Ciani (2018). Rinnovato interesse scientifico nei confronti di un fenotipo in progressivo disuso: la coda grassa negli ovini. XII Convegno Nazionale Biodiversità, Teramo 13-15 Giugno 2018, p288. P
64. **S. Mastrangelo**, E. Ciani, P. Ajmone Marsan, A. Bagnato, L. Battaglini, R. Bozzi, A. Carta, G. Catillo, M. Cassandro, S. Casu, R. Ciampolini, P. Crepaldi, M. D'Andrea, R. Di Gerlando, L. Fontanesi, M. Longeri, N.P.P Macciotta, R. Mantovani, D. Marletta, D. Matassino, M. Mele, G. Pagnacco, C. Pieramati, B. Portolano, F.M. Sarti, M. Tolone, Fabio Pilla (2018). A genome-wide perspective on the population structure of Italian cattle breeds. Proceedings of the 11th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production, Auckland 11-16 February Paper number 236. C
65. S. Ben Jemaa, O. Rahal, S.B.S. Gaouar, **S. Mastrangelo**, E. Ciani, M. Boussaha (2018). Detection of genomic signatures of selection in the North African Brune de l'Atlas cattle. Proceedings of the 11th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production, Auckland 11-16 February. P
66. M. Tolone, C. Larrondo, A. M. Sutura, R. Di Gerlando, M. T. Sardina, **S. Mastrangelo**, J. M. Yañez, B. Portolano (2018). Assessment of genetic variation for pathogen-specific mastitis resistance in Valle del Belice dairy sheep. Proceedings of the 11th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production, Auckland 11-16 February. P
67. B. Moioli, F. Pilla, B. Portolano, **S. Mastrangelo**, E. Ciani (2017). Selection signatures of fat tail in sheep. In: Book of Abstracts N. 23 of the 68th Annual Meeting of the European Federation of Animal Science, Tallin, 28 Agosto-1 Settembre. Abstract. number. 26454, ISSN 1382-6077 – ISBN 978-90-8686-312-9. DOI: 10.3920/978-90-8686-859-9. P
68. A. Ahbara, J. Mwacharo, H. Bahbahani, **S. Mastrangelo**, F. Pilla, E. Ciani, O. Hanotte (2017). Genomic diversity and population structure analysis reveal few genetic differences among Ethiopian indigenous sheep populations. In: Book of Abstracts of the 36th International Society for Animal Genetics Conference (ISAG). P
69. **S. Mastrangelo**, M. Tolone, M. T. Sardina, A. M. Sutura, R. Di Gerlando, B. Portolano (2017). Genome-wide scan for Runs of Homozygosity in Valle del Belice sheep. In: Proceedings 22nd ASPA Congress, Perugia 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 16: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. C
70. F. Biscarini, **S. Mastrangelo**, G. Catillo, B. Moioli, R. Ciampolini (2017). Genome-wide homozygosity in Maremmana cattle. In: Proceedings 22nd ASPA Congress, Perugia 13-16 June, Italy Italian Journal of Animal Science vol. 16: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. C
71. **S. Mastrangelo**, P. Ajmone Marsan, A. Bagnato, L. Battaglini, R. Bozzi, A. Carta, G. Catillo, M. Cassandro, S. Casu, R. Ciampolini, E. Ciani, P. Crepaldi, M. D'Andrea, R. Di Gerlando, L. Fontanesi, M. Longeri, N.P.P Macciotta, R. Mantovani, D. Marletta, D. Matassino, M. Mele, G. Pagnacco, C. Pieramati, B. Portolano, F. M. Sarti, F. Pilla (2017). BOVITA: a first overview on genome-wide genetic diversity of Italian autochthonous cattle breeds. In: Proceedings 22nd ASPA Congress, Perugia 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 16: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. C
72. **S. Mastrangelo**, M. T. Sardina, M. Tolone, R. Di Gerlando, A. M. Sutura, L. Fontanesi, B. Portolano (2017). Distribution of functional variants within Runs of Homozygosity in four Italian cattle breeds. In: Proceedings 22nd ASPA Congress, Perugia 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 16: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. P
73. **S. Mastrangelo**, S. B. Jemaa, R. Ourida, G. Marras, V. Landi, F. Pilla, R. Lucchini, M. Simcic, I. Medugorac, D. Rocha, F. Marroni, H. Bahbahani, A. Valentini, P. Ajmone-Marsan, J. E. Decker, E. Ciani (2017). Genome-wide characterization of local cattle breeds from central and western Mediterranean. In: Proceedings 22nd ASPA Congress, Perugia 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 16: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. P

74. R. Di Gerlando, M. T. Sardina, M. Tolone, A. M. Sutura, **S. Mastrangelo**, B. Portolano (2017). Genome wide Copy Number Variation (CNV) detection in Cinisara cattle breed. In: Proceedings 22nd ASPA Congress, Perugia 13-16 June, Italy Italian Journal of Animal Science vol. 16: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **C**
75. A. Talenti, S. Frattini, **S. Mastrangelo**, P. Baldassare, E. Lasagna, F. Sarti, M. Milanese, L. Colli, E. Ciani, D. Soglia, S. Sartore, R. Ciampolini, A. Crisà, R. Steri, G. Catillo, D. Marletta, S. Bordonaro, M. D'Andrea, A. Chessa, B. Castiglioni, P. Loi, T. Sechi, A. Carta, R. Negrini, A. Stella, A. Valentini, F. Panella, G. Pagnacco, F. Pilla, P. Ajmone Marsan, P. Crepaldi (2017). Italian Goat Consortium: a collaborative project to study the Italian caprine biodiversity. In: Proceedings 22nd ASPA Congress, Perugia 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 16: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **C**
76. A. M. Sutura, M. Tolone, **S. Mastrangelo**, M. T. Sardina, R. Di Gerlando, B. Portolano (2017). Genome-wide association study for milk production traits in Valle del Belice sheep. In: Proceedings 22nd ASPA Congress, Perugia 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 16: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **C**
77. M. Tolone, M. T. Sardina, R. Di Gerlando, **S. Mastrangelo**, A. M. Sutura, B. Portolano (2017). A pipeline for variants discovery using next-generation DNA sequencing data. In: Proceedings 22nd ASPA Congress, Perugia 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 16: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **P**
78. F. Bertolini, G. Galimberti, **S. Mastrangelo**, R. Di Gerlando, M. G. Strillacci, A. Bagnato, B. Portolano, L. Fontanesi (2017). Application of SNP reduction approaches and random forest for the identification of population informative markers in cosmopolitan and local cattle breeds. In: Proceedings 22nd ASPA Congress, Perugia 13-16 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 16: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **P**
79. P. Ajmone Marsan, H. M Bahbahani, E. Ciani, M. D'Andrea, J. E. Decker, S. Gaouar, V. Landi, R. Lucchini, G. Marras, I. Medjugorac, F. Marroni, **S. Mastrangelo**, E. L. Nicolazzi, F. Pilla, D. Rocha, M. Simcic, J. F. Taylor, A. Valentini (2017). Tracking Zebu Introgression in Mediterranean Cattle Breeds. In: International Plant & Animal Genome XXV, January 14-18, San Diego, CA, USA. **P**
80. S. Casu, R. Ciampolini, **S. Mastrangelo**, L. Flori, K. Moazami-Goudarzi, T. Sechi, F. Casabianca, A. Lauvie, M. Gautier, A. Carta, B. Portolano, D. Laloë (2015). Adaptation of Mediterranean local cattle breeds to climate changes: a preliminary study on genome-wide diversity. In: Proceedings XXII International Congress of Mediterranean Federation of Health and Production of Ruminants, Fe. Me. S. P. Rum., Sassari 17-20 June, Italy. ISBN: 978-88-907678-1-4
81. **S. Mastrangelo**, M. Tolone, R. Di Gerlando, M. T. Sardina, B. Portolano (2015). The Sicilian cattle breeds in a global context: genome-wide relationship with other worldwide cattle. In: Proceedings 21st ASPA Congress, Milan 9-12 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 14: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **P**
82. **S. Mastrangelo**, M. Tolone, M. T. Sardina, R. Di Gerlando, L. Fontanesi, B. Portolano (2015). Genomic inbreeding estimation in small populations: evaluation of runs of homozygosity in local cattle breeds. In: Proceedings 21st ASPA Congress, Milan 9-12 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 14: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **C**
83. M. T. Sardina, L. Tortorici, R. Di Gerlando, M. Tolone, R. Segreto, V. Grammatico, **S. Mastrangelo**, B. Portolano (2015). Analysis of acetyl-CoA carboxylase gene polymorphisms in Valle del Belice dairy breeds. In: Proceedings 21st ASPA Congress, Milan 9-12 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 14: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **P**
84. M. T. Sardina, L. Tortorici, R. Di Gerlando, M. Tolone, **S. Mastrangelo**, B. Portolano (2015). Use of microsatellite markers for genetic traceability of Girgentana dairy products. In: Proceedings 21st ASPA Congress, Milan 9-12 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 14: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **P**

85. M. Tolone, **S. Mastrangelo**, R. Di Gerlando, G. Monteleone, A. M. Sutura, M. T. Sardina, B. Portolano (2015). Polymorphisms at β -defensin genes and mastitis in Valle del Belice dairy sheep: a case control study. In: Proceedings 21st ASPA Congress, Milan 9-12 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 14: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **C**
86. L. Tortorici, R. Di Gerlando, **S. Mastrangelo**, M. T. Sardina, B. Portolano (2015). Development of multiplex-PCR protocol to amplify 12S and 16S rRNA genes of mtDNA for traceability of Sicilian mono-species dairy products. In: Proceedings 21st ASPA Congress, Milan 9-12 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 14: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **P**
87. G. Monteleone, V. Grammatico, R. Di Gerlando, **S. Mastrangelo**, M. T. Sardina, B. Portolano (2015). Two-dimensional difference in gel electrophoresis (2D-DIGE) for milk proteins characterization in Girgentana goat breed. In: Proceedings 21st ASPA Congress, Milan 9-12 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 14: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **P**
88. A. M. Sutura, M. Tolone, **S. Mastrangelo**, M. T. Sardina, B. Portolano (2015). Loss in milk yield and related composition changes resulting from different levels of somatic cell count in Valle del Belice dairy sheep. In: Proceedings 21st ASPA Congress, Milan 9-12 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 14: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **P**
89. R. Ciampolini, S. Casu, **S. Mastrangelo**, L. Flori, K. Moazami-Goudarzi, T. Sechi, F. Cecchi, F. Casabianca, A. Lauvie, M. Gautier, A. Carta, B. Portolano, D. Laloë (2015). Genetic diversity of Mediterranean cattle breeds related to geography and climate. In: Proceedings 21st ASPA Congress, Milan 9-12 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 14: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **C**
90. G. Sottile, M. T. Sardina, **S. Mastrangelo**, M. Tolone, M. Chiodi, B. Portolano (2015). Identification of breed informative single nucleotide polymorphisms for assigning individual in Sicilian dairy sheep. In: Proceedings 21st ASPA Congress, Milan 9-12 June, Italy. Italian Journal of Animal Science vol. 14: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **C**
91. **S. Mastrangelo**, M. Saura, M.T. Sardina, M. Serrano, B. Portolano (2014). Using of SNP markers to estimate inbreeding, coancestry and effective population size in Sicilian cattle breeds. In: Book of Abstracts N. 20 of the 65th Annual Meeting of the European Federation of Animal Science, Copenhagen, 25-29 Agosto. Abstract. p. 228, ISSN 1382-6077 – ISBN 978-90-8686-248-1. **P**
92. **S. Mastrangelo**, M.T. Sardina, M. Tolone, R. Di Gerlando, Portolano B (2014). Genome structure in Sicilian cattle breeds. In: Book of Abstracts N. 20 of the 65th Annual Meeting of the European Federation of Animal Science, Copenhagen ,25-29 Agosto. Abstract. p. 332, ISSN 1382-6077 – ISBN 978-90-8686-248-1. **P**
93. M.T. Sardina, **S. Mastrangelo**, L. Tortorici, R. Di Gerlando, B. Portolano (2014). Genetic variability of Girgentana goat breed using molecular markers. In: Book of Abstracts N. 20 of the 65th Annual Meeting of the European Federation of Animal Science, Copenhagen, 25-29 Agosto. Abstract. p. 327, ISSN 1382-6077 – ISBN 978-90-8686-248-1. **P**
94. R. Di Gerlando, **S. Mastrangelo**, M.T. Sardina, B. Portolano (2014). Linkage disequilibrium and genetic diversity estimation in three Sicilian autochthonous dairy sheep breeds. In: Book of Abstracts N. 20 of the 65th Annual Meeting of the European Federation of Animal Science, Copenhagen, 25-29 Agosto. Abstract. p. 333, ISSN 1382-6077 – ISBN 978-90-8686-248-1. **P**
95. **S. Mastrangelo**, M. Tolone, M.T. Sardina, M. Serrano, B. Portolano (2013). Linkage disequilibrium and genetic diversity in two sicilian cattle breeds assessed by bovine Snp Chip. In: Book of Abstracts LXVII Convegno Nazionale S.I.S.Vet, Società Italiana delle Scienze Veterinarie, Brescia, 17-19 settembre. Abstract. p. 240, ISBN: 978-88-909092-0-7. **C**
96. R. Segreto, F. Gulli, M. Montalbano, **S. Mastrangelo**, B. Portolano (2013). Association between the polymorphism at casein loci and milk fatty acid composition in Girgentana goats. In: Book of Abstracts LXVII Convegno Nazionale S.I.S.Vet, Società Italiana delle Scienze

- Veterinarie, Brescia, 17-19 settembre. Abstract. p. 243, ISBN: 978-88-909092-0-7. **C**
97. G. Monteleone, **S. Mastrangelo**, M.T. Sardina, G. Gallo (2013). Proteomics for milk proteins characterization in Girgentana goat breed. In: Proceedings 20th congress ASPA, Bologna 10-12 giugno, Italy, vol. 12: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **C**
 98. M. Montalbano, R. Segreto, F. Gulli, **S. Mastrangelo**, M. Tolone, B. Portolano (2013). Quantification of genetic variants of caseins in milk of Girgentana goat breed. In: Proceedings 20th congress ASPA, Bologna 10-12 giugno, Italy, vol. 12: Supplement 1. ISSN 1594-4077 - eISSN 1828-051X. **C**
 99. M. Montalbano, L. Tortorici, **S. Mastrangelo**, B. Portolano (2012). Preliminary study on quantification of α s1-casein variants in Girgentana goat breed by direct chromatographic analysis of milk. In: Book of Abstracts, XXIII Congresso della Divisione di Chimica Analitica della Società Chimica Italiana, Isola d'Elba 16-20 settembre, Italy, p. 83. ISBN: 9788890767081. **C**
 100. **S. Mastrangelo**, M. Tolone, M. T. Sardina, B. Portolano (2012). Caratterizzazione genetica mediante microsatelliti di una popolazione caprina siciliana. In: Book of Abstracts, XX Congresso Nazionale S.I.P.A.O.C., Siracusa 26 - 29 Settembre 2012. Large Animal Review Supplemento 1, vol. 5. P. 25, ISSN: 1124-4593.
 101. **S. Mastrangelo**, M. T. Sardina, V. Riggio (2011). Genetic diversity and phylogenetic relationships among four breeds reared in Sicily using β -lactoglobulin promoter region polymorphisms. In: Proceedings 19th congress ASPA, Cremona 7-10 giugno, Italy, vol. 10: Supplement 1. **C**
 102. M. Tolone, **S. Mastrangelo**, B. Portolano (2011). Genetic structure and assignment test in five sheep breeds reared in Sicily using microsatellites. In: Proceedings 19th congress ASPA, Cremona 7-10 giugno, Italy, vol. 10: Supplement 1. **C**

Volumi Scientifici

1. **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE, M.T. SARDINA (2014) Molecular characterization of the Sicilian goat populations. EDIZIONI ACCADEMICHE ITALIANE (EAI). PP 1-44, ISBN 978-3-639-47473-2

Workshop

1. L. Flori, K. Moazami-Goudarzi, P. Lecomte, C.H. Moulin, S. Thévenon, V. Alary, F. Casabianca, A. Lauvie, N. Boushaba, N. Saïdi-Mehtar, I. Boujenane, A. Araba, D. Menni, O. Pineau, R. Ciampolini, F. Cecchi, S. Casu, A. Carta, T. Sechi, A. ElBeltagy, M.A. Osman, C. Rodellar, A. Martinez, J.V. Delgado, V. Landi, G. Hadjipavlou, C. Ligda, **S. Mastrangelo**, B. Portolano, M. Gautier, D. Laloë (2015). The GALIMED project: adaptation of Mediterranean bovine livestock to climate constraints. A first joint analysis of genetic and climatic data. In: Workshop ReColAd, Parigi, 11-12 Febbraio.

Elenco delle Pubblicazioni su Riviste Scientifiche non censite da SCOPUS

1. **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE, M.T. SARDINA, R. DI GERLANDO, B. PORTOLANO (2013). Genetic characterization of the *Mascarina* goat, a Sicilian autochthonous population, using molecular markers. *African journal of Biotechnology* 12:3758-3767. ISSN:1684-5315, DOI:10.5897/AJB.

Book Chapter

1. **Mastrangelo S**, Bonanno A. (2017). The Girgentana Goat Breed: A Zootechnical Overview on Genetics, Nutrition and Dairy Production Aspects. In: Simões J., Gutiérrez C. (eds) Sustainable Goat Production in Adverse Environments: Volume II. Chapter 14, pp 191-203. Springer, Cham. DOI: https://doi.org/10.1007/978-3-319-71294-9_14. Online ISBN978-3-31.

Elenco delle Pubblicazioni su Riviste Peer Reviewed indicizzate

- 1) **S. MASTRANGELO**, M.T. SARDINA, V. RIGGIO, B. PORTOLANO (2012). Study of polymorphisms in the promoter region of ovine β -lactoglobulin gene and phylogenetic analysis among the Valle del Belice breed and other sheep breeds considered as ancestors. *Molecular Biology Reports* 39: 745-751.
- 2) M. TOLONE*, **S. MASTRANGELO***, A.J.M. ROSA, B. PORTOLANO (2012). Genetic diversity and population structure of Sicilian sheep breeds using microsatellite markers. *Small Ruminant Research* 102:18-25. (*equal contributor)
- 3) **S. MASTRANGELO**, M.T. SARDINA, M. TOLONE, B. PORTOLANO (2013). Genetic polymorphism at the CSN1S1 gene in Girgentana dairy goat breed. *Animal Production Science* 53:403-406.
- 4) M. TOLONE, **S. MASTRANGELO**, M.T. SARDINA, B. PORTOLANO (2013). Effect of hairless gene polymorphism on the breeding values of milk production traits in Valle del Belice dairy sheep. *Livestock Science* 154:60-63.
- 5) A.J.M. ROSA, M.T. SARDINA, **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE, B. PORTOLANO (2013). Parentage verification of Valle del Belice dairy sheep using multiplex microsatellite panel. *Small Ruminant Research* 113:62-65.
- 6) M. PALMERI, **S. MASTRANGELO**, M.T. SARDINA, B. PORTOLANO (2014). Genetic variability at α s₂-casein (CSN1S2) gene in Girgentana dairy goat breed. *Italian Journal of Animal Science* 13:116-118.
- 7) M. MONTALBANO, L. TORTORICI, **S. MASTRANGELO**, M.T. SARDINA, B. PORTOLANO (2014). Development and validation of RP-HPLC method for the quantitative estimation of alpha s1- genetic variants in goat milk. *Food Chemistry* 156:165-169.
- 8) **S. MASTRANGELO**, M. SAURA, M. TOLONE, J. SALCES-ORTIZ, R. DI GERLANDO, F. BERTOLINI, L. FONTANESI, M.T. SARDINA, M. SERRANO, B. PORTOLANO (2014). The genome-wide structure of two economically important indigenous Sicilian cattle breeds. *Journal of Animal Science* 92:4833-4842.
- 9) **S. MASTRANGELO**, R. DI GERLANDO, M. TOLONE, L. TORTORICI, M.T. SARDINA, B. PORTOLANO, INTERNATIONAL SHEEP GENOMICS CONSORTIUM (2014). Genome wide linkage disequilibrium and genetic structure in Sicilian dairy sheep breeds. *BMC Genetics* 15:108.
- 10) L. TORTORICI, R. DI GERLANDO, **S. MASTRANGELO**, M.T. SARDINA, B. PORTOLANO (2014). Genetic characterization of CSN2 gene in Girgentana goat breed. *Italian Journal of Animal Science* 13:720-722.
- 11) R. DI GERLANDO, L. TORTORICI, M.T. SARDINA, G. MONTELEONE, **S. MASTRANGELO**, B. PORTOLANO (2015). Molecular characterisation of κ -casein (CSN3) gene in Girgentana dairy goat breed and identification of two new alleles. *Italian Journal of Animal Science* 14:90-93.
- 12) M.T. SARDINA, L. TORTORICI, **S. MASTRANGELO**, R. DI GERLANDO, M. TOLONE, B. PORTOLANO (2015). Application of microsatellite markers as potential tools for traceability of Girgentana goat breed dairy products. *Food Research International* 74:115-122.

- 13) M. MONTALBANO, R. SEGRETO, R. DI GERLANDO, **S. MASTRANGELO**, M.T. SARDINA (2016). Quantitative determination of casein genetic variants in goat milk: application in Girgentana dairy goat breed. *Food Chemistry* 192:760-764.
- 14) **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE, R. DI GERLANDO, L. FONTANESI, M.T. SARDINA, B. PORTOLANO (2016). Genomic inbreeding estimation in small populations: evaluation of runs of homozygosity in three local dairy cattle breeds. *Animal* 10:746-754.
- 15) M. TOLONE, **S. MASTRANGELO**, R. DI GERLANDO, A. M. SUTERA, G. MONTELEONE, M. T. SARDINA, B. PORTOLANO (2016). Association study between β -defensin gene polymorphisms and mastitis resistance in Valle del Belice dairy sheep breed. *Small Ruminant Research* 136:18-21.
- 16) L. TORTORICI, R. DI GERLANDO, M. TOLONE, **S. MASTRANGELO**, M.T. SARDINA (2016). 12S rRNA mitochondrial gene as marker to trace Sicilian mono-species dairy products. *Livestock Science* 193:39-44.
- 17) **S. MASTRANGELO**, B. PORTOLANO, R. DI GERLANDO, R. CIAMPOLINI, M. TOLONE, M. T. SARDINA, INTERNATIONAL SHEEP GENOMICS CONSORTIUM (2017). Genome-wide analysis in endangered populations: a case study in Barbaresca sheep breed. *Animal* 11:1107-1116.
- 18) **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE, M. MONTALBANO, L. TORTORICI, R. DI GERLANDO, M.T. SARDINA, B. PORTOLANO (2017). Population genetic structure and milk production traits in Girgentana goat breed. *Animal Production Science* 57:430-440.
- 19) R. DI GERLANDO, **S. MASTRANGELO**, L. TORTORICI, M. TOLONE, A.M SUTERA, M.T. SARDINA, B. PORTOLANO (2017). Full length sequencing and novel polymorphisms discovery in the ACACA gene of Valle del Belice sheep breed. *Journal of Genetics* 96:591-597.
- 20) **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE, M.T. SARDINA, G. SOTTILE, A.M SUTERA, R. DI GERLANDO, B. PORTOLANO (2017). Genome-wide scan for runs of homozygosity identifies potential candidate genes associated with local adaptation in Valle del Belice sheep. *Genetics Selection Evolution* 49:84.
- 21) F. BERTOLINI, G. GALIMBERTI, G. SCHIAVO, **S. MASTRANGELO**, R. DI GERLANDO, M.G. STRILLACCI, A. BAGNATO, B. PORTOLANO, L. FONTANESI (2018). Preselection statistics and Random Forest classification identify population informative single nucleotide polymorphisms in cosmopolitan and autochthonous cattle breeds. *Animal* 12:12-19.
- 22) G. SOTTILE, M.T. SARDINA, **S. MASTRANGELO**, R. DI GERLANDO, M. TOLONE, M. CHIODI, B. PORTOLANO (2018). Penalized Classification for Optimal Statistical Selection of markers from high throughput genotyping: Application in Sheep Breeds. *Animal* 12(6):1118–1125.
- 23) **S. MASTRANGELO**, E. CIANI, M.T. SARDINA, G. SOTTILE, F. PILLA, B. PORTOLANO, THE BLOV.ITA CONSORTIUM (2018). Runs of homozygosity reveal genome-wide autozygosity in Italian sheep breeds. *Animal Genetics* 49:71-81.
- 24) **S. MASTRANGELO**, F. BISCARINI, B. AUZINO, M. RAGATZU, A. SPATERNA, R. CIAMPOLINI (2018). Genome-wide diversity and runs of homozygosity in the "Braque Français, type Pyrénées" dog breed. *BMC Research Notes* 11:13.
- 25) **S. MASTRANGELO**, M.T. SARDINA, M. TOLONE, R. DI GERLANDO, A.M SUTERA, L. FONTANESI, B. PORTOLANO (2018). Genome-wide identification of runs

- of homozygosity islands and associated genes in local dairy cattle breeds. *Animal* 12:(12) 2480-2488.
- 26) A. M. SUTERA, B. PORTOLANO, R. DI GERLANDO, M.T. SARDINA, **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE (2018). Determination of milk production losses and variations of fat and protein percentages according to different levels of somatic cell count in Valle del Belice dairy sheep. *Small Ruminant Research* 162:39-42.
 - 27) **S. MASTRANGELO**, E. CIANI, P. AJMONE-MARSAN, A. BAGNATO, L. BATTAGLINI, R. BOZZI, A. CARTA, G. CATILLO, M. CASSANDRO, S. CASU, R. CIAMPOLINI, P. CREPALDI, M. D'ANDREA, R. DI GERLANDO, L. FONTANESI, M. LONGERI, N.P.P MACCIOTTA, R. MANTOVANI, D. MARLETTA, D. MATASSINO, M. MELE, G. PAGNACCO, C. PIERAMATI, B. PORTOLANO, F. M. SARTI, M. TOLONE, F. PILLA (2018). Conservation status and historical relatedness of Italian cattle breeds. *Genetics Selection Evolution* 50:35.
 - 28) S. BEN JEMAA, O. RAHAL, S. BECHIR SUHEIL GAOUAR, **S. MASTRANGELO**, M. BOUSSAHAE, E. CIANI (2018). Genomic characterization of Algerian Guelmoise cattle and their genetic relationship with other North African populations inferred from SNP genotyping arrays. *Livestock Science* 217:19-25.
 - 29) **S. MASTRANGELO**, G. SOTTILE, A. M. SUTERA, R. DI GERLANDO, M. TOLONE, A. MOSCARELLI, M.T. SARDINA, B. PORTOLANO (2018). Genome-wide association study reveals the locus responsible for microtia in Valle del Belice sheep breed. *Animal Genetics* 49:636-640.
 - 30) **S. MASTRANGELO**, F. BISCARINI, M. TOLONE, B. AUZINO, M. RAGATZU, A. SPATERNA, R. CIAMPOLINI (2018). Genomic characterization of the "Braque Français, type Pyrénées" dog and relationships with other breeds. *Plos One* 13(12): e0208548.
 - 31) R. DI GERLANDO, M. TOLONE, A. M. SUTERA, G. MONTELEONE, B. PORTOLANO, M.T. SARDINA, **S. MASTRANGELO** (2019). Variation of proteomic profile during lactation in Girgentana goat milk: a preliminary study. *Italian Journal of Animal Science* 18(1):88-97.
 - 32) R. DI GERLANDO, M.T. SARDINA, M. TOLONE, A.M. SUTERA, **S. MASTRANGELO**, B. PORTOLANO (2019). Identification of copy number variations in local cattle breeds. *Animal Production Science* 59(5):815-822.
 - 33) **S. MASTRANGELO**, B. MOIOLI, A. AHBARA, S. LATAIRISH, B. PORTOLANO, F. PILLA, E. CIANI (2019). A genome-wide scan of fat-tail sheep identifies signals of selection for fat deposition and adaptation. *Animal Production Science* 59(5):835-848.
 - 34) **S. MASTRANGELO**, A. CRISCIONE, G. SOTTILE, B. PORTOLANO, D. MARLETTA, S. BORDONARO (2019). Genome-wide analysis identify the potential causative genes explaining the phenotypic variability in Pinzirita sheep. *Animal Genetics* 50: 189-190.
 - 35) A.M. AHBARA, H. BAHBAHANI, F. ALMATHEN, M.A. AL ABRI, M.O. AGOUB, A. ABEBA, A. KEBEDE, H.H. MUSA, **S. MASTRANGELO**, F. PILLA, E. CIANI, O. H. HANOTTE, J.M. MWACHARO (2019). Genome-wide variation, candidate regions and genes associated with fat deposition and tail morphology in Ethiopian indigenous sheep. *Frontiers in Genetics* 9:699.
 - 36) L. FLORI, K. MOAZAMI-GOUDARZI , V. ALARY, A. ARABA, I. BOUJENANE, N. BOUSHABA, F. CASABIANCA, S. CASU, R. CIAMPOLINI, A. COEUR D'ACIER, C. COQUELLE, J. V. DELGADO, A. EL-BELTAGI, G. HADJIPAVLOU, E. JOUSSELIN, V. LANDI, A. LAUVIE, P. LECOMTE, C. LIGDA, C. MARINTHE, A. MARTINEZ, **S.**

- MASTRANGELO**, D. MENNI, C. MOULIN , M. A. OSMAN, O. PINEAU, B. PORTOLANO, C. RODELLAR, N. SAIDI-MEHTAR, T. SECHI, G. SEMPERE, S. THEVENON, D. TSIOKOS, D. LALOË, M. GAUTIER (2019). A genomic map of climate adaptation in Mediterranean cattle breeds. *Molecular Ecology* 28:1009-1029.
- 37) A. M. SUTERA, V. RIGGIO, **S. MASTRANGELO**, R. DI GERLANDO, M. T. SARDINA, R. PONG-WONG, M. TOLONE, B. PORTOLANO (2019). Genome-wide association studies for milk production traits in Valle del Belice sheep using repeated measures. *Animal Genetics* 50:311-314.
- 38) R. DI GERLANDO, **S. MASTRANGELO**, M. T. SARDINA, M. RAGATZU, A. SPATERNA, B. PORTOLANO, F. BISCARINI, R. CIAMPOLINI (2019). A Genome-Wide Detection of Copy Number Variations Using SNP Genotyping Arrays in Braque Français Type Pyrénées Dogs. *Animals* 9(3), 77.
- 39) R. DI GERLANDO, A. M. SUTERA, **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE, B. PORTOLANO, G. SOTTILE, A. BAGNATO, M. G. STRILLACCI, M. T. SARDINA (2019). Genome-wide association study between CNVs and milk production traits in Valle del Belice sheep. *Plos One* 14(4): e0215204.
- 40) **S. MASTRANGELO**, G. SOTTILE, M. T. SARDINA, A. M. SUTERA, M. TOLONE, R. DI GERLANDO, B. PORTOLANO (2019). A combined genome-wide approach identifies a new potential candidate marker associated with the coat color sidedness in cattle. *Livestock Science* 225:91-95.
- 41) **S. MASTRANGELO**, S. BEN JEMAA, G. SOTTILE, S. CASU, B. PORTOLANO, E. CIANI, F. PILLA (2019). Combined approaches to identify genomic regions involved in phenotypic differentiation between low divergent breeds: application in Sardinian sheep populations. *Journal of Animal Breeding and Genetics* 136:526-534.
- 42) **S. MASTRANGELO**, H. BAHBAHANI, B. MOIOLI, A. AHBARA, M. AL ABRI, F. ALMATHEN, A. DA SILVA, B. PORTOLANO, J. M. MWACHARO, O. HANOTTE, F. PILLA, E. CIANI (2019). Novel and known signals of selection for fat deposition in domestic sheep breeds from Africa and Eurasia. *Plos One* 14(6): e0209632.
- 43) S. MEGDICHE, **S. MASTRANGELO**, M. BEN HAMOUDA, J. A. LENSTRA, E. CIANI (2019). Merino and Merino-derived sheep breeds: a further look at genome-wide selection signatures for wool traits. *Frontiers in Genetics* 10, 1025.
- 44) F. BERTOLINI, G. SCHIAVO, S. BOVO, M. T. SARDINA, **S. MASTRANGELO**, S. DALL'OLIO, B. PORTOLANO, L. FONTANESI (2020). Comparative selection signature analyses identify genomic footprints in Reggiana cattle, the traditional breed of the Parmigiano Reggiano cheese production system. *Animal* 14(5), 921-932.
- 45) E. D'ALESSANDRO, G. SOTTILE, M. T. SARDINA, A. CRISCIONE, S. BORDONARO, A. M. SUTERA, A. ZUMBO, B. PORTOLANO, **S. MASTRANGELO** (2020). Genome-wide analyses reveal the regions involved in the phenotypic diversity in Sicilian pigs. *Animal Genetics* 51:101-105.
- 46) **S. MASTRANGELO**, S. BEN JEMAA, E. CIANI, G. SOTTILE, A. MOSCARELLI, M. BOUSSAHA, M. MONTEDORO, F. PILLA, M. CASSANDRO (2020). Genome-wide detection of signatures of selection in three Valdostana cattle populations. *Journal of Animal Breeding and Genetics* 137(6), 609-621.
- 47) **S. MASTRANGELO**, F. CENDRON, G. SOTTILE, G. NIERO, B. PORTOLANO, F. BISCARINI, M. CASSANDRO (2020). Genome-wide Analyses Identifies Known and New Markers Responsible of Chicken Plumage Color. *Animals* 10, 493.

- 48) E. CIANI, **S. MASTRANGELO**, A. DA SILVA, F. MARRONI, M. FERENČAKOVIĆ, P. AJMONE-MARSAN, H. BAIRD, M. BARBATO, L. COLLI, C. DELVENTO, T. DOVENSKI, G. GORJANC, S.J.G. HALL, A. HODA, M. LI, B. MARKOVIĆ, J. MCEWAN, M. H. MORADI, O. RUIZ-LARRAÑAGA, D. RUŽIĆ-MUSLIĆ, D. ŠALAMON, M. SIMČIČ, O. STEPANEK, ECONOGENE CONSORTIUM, SHEEP HAPMAP CONSORTIUM, I. CURIK, V. CUBRIC-CURIK, J. A. LENSTRA (2020). On the origin of European sheep as revealed by the diversity of the Balkan breeds and by optimizing population-genetic analysis tools. *Genetics Selection Evolution* 52:25.
- 49) R. DI GERLANDO, **S. MASTRANGELO**, A. MOSCARELLI, M. TOLONE, A. M. SUTERA, B. PORTOLANO, M. T. SARDINA (2020). Genomic Structural Diversity in Local Goats: Analysis of Copy-Number Variations. *Animals* 10, 1040.
- 50) G. SENCZUK, **S. MASTRANGELO**, E. CIANI, L. BATTAGLINI, F. CENDRON, R. CIAMPOLINI, P. CREPALDI, R. MANTOVANI, G. BONGIONI, G. PAGNACCO, B. PORTOLANO, A. ROSSONI, F. PILLA, M. CASSANDRO (2020). The genetic heritage of Alpine local cattle breeds using genomic SNP data. *Genetics Selection Evolution* 52:40.
- 51) S. BEDHIAF-ROMDHANI, I. BAAZAOU, E. CIANI, **S. MASTRANGELO**, M. BEN SASSI (2020). Genetic structure of Tunisian sheep breeds as inferred from genome-wide SNP markers. *Small Ruminant Research* 191, 106192.
- 52) G. SENCZUK, L. GUERRA, **S. MASTRANGELO**, C. CAMPOBASSO, K. ZOUBEYDA, M. IMANE, D. MARLETTA, S. KUSZA, T. KARSLI, S. B. SOUHEIL-GAOUAR4, F. PILLA, E. CIANI, THE BOVITA CONSORTIUM (2020). Fifteen shades of grey. Combined analysis of genome-wide SNP data in Steppe and Mediterranean grey cattle sheds new light on the molecular basis of coat color. *Genes* 11, 932.
- 53) G. ROVELLI, S. CECCOBELLI, F. PERINI, E. DEMIRA, **S. MASTRANGELO**, G. CONTE, F. ABENI, D. MARLETTA, R. CIAMPOLINI, M. CASSANDRO, U. BERNABUCCI, E. LASAGNA (2020). The genetics of phenotypic plasticity in livestock in the era of climate change: a review. *Italian Journal of Animal Science*, 19:1, 997-1014.
- 54) **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE, S. BEN JEMAA, G. SOTTILE, R. DI GERLANDO, O. CORTES, G. SENCZUK, B. PORTOLANO, F. PILLA, E. CIANI (2020). Refining the genetic structure and relationships of European cattle breeds through meta-analysis of worldwide genomic SNP data, focusing on Italian cattle. *Scientific Reports* 10(1), 1-13.
- 55) F. CENDRON, F. PERINI, **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE, A. CRISCIONE, S. BORDONARO, N. IAFFALDANO, C. CASTELLINI, M. MARZONI, A. BUCCIONI, D. SOGLIA, A. SCHIAVONE, S. CEROLINI, E. LASAGNA, M. CASSANDRO (2020). Genome-Wide SNP Analysis Reveals the Population Structure and the Conservation Status of 23 Italian Chicken Breeds. *Animals* 10, 1441.
- 56) S. BEN JEMAA, **S. MASTRANGELO**, S. H. LEE, J. H. LEE, M. BOUSSAHA (2020). Genome-wide scan for selection signatures reveals novel insights into the adaptive capacity in local North African cattle. *Scientific Reports* 10, 19466.
- 57) F. BISCARINI, **S. MASTRANGELO***, G. CATILLO, G. SENCZUK, R. CIAMPOLINI (2020). Insights into genetic diversity, runs of homozygosity and heterozygosity-rich regions in Maremmana semi-feral cattle using pedigree and genomic data. *Animals* 10, 285 (*equal contributor).
- 58) F. CENDRON, **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE, F. PERINI, E. LASAGNA, M. CASSANDRO (2021). Genome-wide analysis reveals the patterns of genetic diversity and population structure of eight Italian local chicken breeds. *Poultry Science* 100(2), 441-45.

- 59) A. MOSCARELLI, M. T. SARDINA, M. CASSANDRO, E. CIANI, F. PILLA, G. SENCZUK, B. PORTOLANO, **S. MASTRANGELO** (2021). Genome-wide assessment of diversity and differentiation between original and modern Brown cattle populations (2021). *Animal Genetics* 52(1) 21–31.
- 60) I. BAAZAOU, S. BEDHIAF-ROMDHANI, **S. MASTRANGELO**, E. CIANI (2021). Genome-wide analyses reveal population structure and identify candidate genes associated with tail fatness in local sheep from a semi-arid area. *Animal*, 100193.
- 61) A. M. SUTERA, A. MOSCARELLI, **S. MASTRANGELO**, M. T. SARDINA, R. DI GERLANDO, B. PORTOLANO, M. TOLONE (2021). Genome-Wide Association Study Identifies New Candidate Markers for Somatic Cells Score in a Local Dairy Sheep. *Frontiers in Genetics*, 12:643531.
- 62) S. BEN-JEMAA, G. SENCZUK, E. CIANI, R. CIAMPOLINI, G. CATILLO, M. BOUSSAHA, F. PILLA, B. PORTOLANO, **S. MASTRANGELO** (2021). Genome-wide analysis reveals selection signatures involved in meat traits and adaptive immune responses in semi-feral Maremmana cattle. *Frontiers in Genetics* 12:675569.
- 63) A. M. SUTERA, M. TOLONE, **S. MASTRANGELO**, R. DI GERLANDO, M.T. SARDINA, B. PORTOLANO, R. PONG-WONG, V. RIGGIO (2021). Detection of genomic regions underlying milk production traits in Valle del Belice dairy sheep using regional heritability mapping. *Journal of Animal Breeding and Genetics*, 138(5), 552-561.
- 64) M. CORTELLARI, M. BARBATO, A. TALENTI, A. BIONDA, A. CARTA, R. CIAMPOLINI, E. CIANI, A. CRISÀ, S. FRATTINI, E. LASAGNA, D. MARLETTA, **S. MASTRANGELO**, A. NEGRO, E. RANDI, F. M. SARTI, S. SARTORE, D. SOGLIA, L. LIOTTA, A. STELLA, P. AJMONE-MARSAN, F. PILLA, L. COLLI, P. CREPALDI AND THE ITALIAN GOAT CONSORTIUM (2021). The climatic and genetic heritage of Italian goat breeds with genomic SNP data. *Scientific Reports* 11:10986.
- 65) G. SENCZUK, **S. MASTRANGELO**, P. AJMONE-MARSAN, Z. BECSKEI, P. COLANGELO, L. COLLI, L. FERRETTI, T. KARSLI TAKI, H. LANCIONI, E. LASAGNA, D. MARLETTA, C. PERSICHILLI, B. PORTOLANO, F. M. SARTI, E. CIANI, F. PILLA (2021). On the origin and diversification of Podolian cattle breeds: testing scenarios of European colonization using genome-wide SNP data. *Genetics Selection Evolution*, 53:48.
- 66) **S. MASTRANGELO**, R. DI GERLANDO, M. T. SARDINA, A. M. SUTERA, A. MOSCARELLI, M. TOLONE, M. CORTELLARI, D. MARLETTA, P. CREPALDI, B. PORTOLANO (2021). Genome-wide patterns of homozygosity reveals the conservation status in five Italian goat populations. *Animals*, 11, 1510.
- 67) C. PERSICHILLI, G. SENCZUK, P. LOI, D. A. ANZALONE, R. NEGRINI, P. AJMONE MARSAN, L. COLLI, F. PILLA, **S. MASTRANGELO** (2021). Genome-wide diversity of Pagliarola sheep residual population and its conservation implication. *Italian Journal of Animal Science*, 20:1, 1695-1705.
- 68) A. M. SUTERA, R. DI GERLANDO, **S. MASTRANGELO**, M. T. SARDINA, E. D'ALESSANDRO, B. PORTOLANO, M. TOLONE (2021). Genome-Wide Association Study for Milk Production Traits in an Economically Important Local Dairy Sheep Breed. *Italian Journal of Animal Science*, 20, 1, 1500-1505.
- 69) G. MACALUSO, C. MANNO, M. L. VALVO, M. TOLONE, **S. MASTRANGELO**, R. PULEIO, G. R. LORIA (2021). The Sicilian rock partridge: latest data on genetic integrity from four different relict areas. *Turkish Journal of Zoology*, 45(7), 579-584.

- 70) M. CORTELLARI, A. BIONDA, A. NEGRO, S. FRATTINI, **S. MASTRANGELO**, E. SOMENZI, E. LASAGNA, F. M. SARTI, E. CIANI, R. CIAMPOLINI, D. MARLETTA, L. LIOTTA, P. AJMONE-MARSAN, F. PILLA, L. COLLI, A. TALENTI, P. CREPALDI (2021). Runs of homozygosity in the Italian goat breeds: impact of management in low input systems. *Genetics Selection Evolution*, 53:92.
- 71) R. DI GERLANDO, **S. MASTRANGELO**, M. TOLONE, I. RIZZUTO, A. M. SUTERA, A. MOSCARELLI, B. PORTOLANO, M. T. SARDINA (2022). Identification of Copy Number Variations and Genetic Diversity in Italian Insular Sheep Breeds. *Animals*, 12, 217.
- 72) A. CRISCIONE[†], **S. MASTRANGELO**[†], E. D'ALESSANDRO, S. TUMINO, R. DI GERLANDO, A. ZUMBO, D. MARLETTA, S. BORDONARO (2022). Genome-wide survey on three local horse populations with a focus on Runs of homozygosity pattern. *Journal of Animal Breeding and Genetics*, 139(5), 540-555. ([†]equal contributor).
- 73) H. MOHAMMADI, A. H. KHFAHANI, M. H. MORADI, **S. MASTRANGELO**, R. DI GERLANDO, M. T. SARDINA, M. L. SCATASSA, B. PORTOLANO, M. TOLONE (2022). Weighted Single-Step Genome-Wide Association Study Uncovers Known and Novel Candidate Genomic Regions for Milk Production Traits and Somatic Cell Score in Valle del Belice Dairy Sheep. *Animals*, 12, 1155.
- 74) I. DRZAIC, I. CURIK, B. LUKIC, M. SHIHABI, L. MENG-HUA, J. KANTANEN, **S. MASTRANGELO**, E. CIANI, J. LENSTRA, V. CUBRIC-CURIK (2022). High-density genomic characterization of Croatian native sheep breeds. *Frontiers in Genetics*, 13, 940736.
- 75) G. SENCZUK, A. CRISCIONE, **S. MASTRANGELO**, F. BISCARINI, D. MARLETTA, F. PILLA, D. LALOE, R. CIAMPOLINI (2022). How Geography and Climate Shaped the Genomic Diversity of Italian Local Cattle and Sheep Breeds. *Animals*, 12, 2198.
- 76) G. SENCZUK, V. LANDI, **S. MASTRANGELO**, C. PERSICHILLI, F. PILLA, E. CIANI (2022). Seven Shades of Grey: A Follow-Up Study on the Molecular Basis of Coat Colour in Indicine Grey Cattle Using Genome-Wide SNP Data. *Genes*, 13, 1601.
- 77) M. TOLONE, M. T. SARDINA, G. SENCZUK, G. CHESSARI, A. CRISCIONE, A. MOSCARELLI, S. RIGGIO, I. RIZZUTO, R. DI GERLANDO, B. PORTOLANO, **S. MASTRANGELO** (2022). Genomic Tools for the Characterization of Local Animal Genetic Resources: Application in Mascaruna Goat. *Animals*, 12, 2840.
- 78) A. CESARANI, **S. MASTRANGELO**, M. CONGIU, B. PORTOLANO, G. GASPA, M. TOLONE, N. P. P. MACCIOTTA (2023). Relationship between inbreeding and milk production traits in two Italian dairy sheep breeds. *Journal of Animal Breeding and Genetics*; 140:28–38.
- 79) C. PERSICHILLI, G. SENCZUK, **S. MASTRANGELO**, M. MARUSI, J-T. VAN KAAM, R. FINOCCHIARO, M. DI CIVITA, M. CASSANDRO, F. PILLA (2023). Exploring genome-wide differentiation and signatures of selection in Italian and North American Holstein populations. *Journal of Dairy Science*, 106(8):5537-5553 <https://doi.org/10.3168/jds.2022-22159>.
- 80) L. FALCHI, A. CESARANI, **S. MASTRANGELO**, G. SENCZUK, B. PORTOLANO, F. PILLA, N.P.P. MACCIOTTA (2023). Analysis of Runs of Homozygosity of cattle living in different climate zones. *Journal of Animal Science*, 101, 1–11.
- 81) **S. MASTRANGELO**, S. BEN-JEMAA, F. PERINI, F. CENDRON, F. BISCARINI, E. LASAGNA, M. PENASA, M. CASSANDRO (2023). Genome-wide mapping of signatures

of selection using a high-density array identified candidate genes for growth traits and local adaptation in chickens. *Genetics Selection Evolution*, 55:20.

- 82) S. CECCOBELLI, V. LANDI, G. SENCZUK, **S. MASTRANGELO**, M.T. SARDINA, S. BEN-JEMAA, C. PERSICHILLI, T. KARSLI, V.-A. BÂLTEANU, M.A. RASCHIA, M.A. POLI, G. CIAPPESONI, F.C. MUCHADEYI, E.F. DZOMBA, N.W. KUNENE, G. LÜHKEN, T.E. DENISKOVA, A.V. DOTSEV, N.A. ZINOVIEVA, A. ZSOLNAI, I. ANTON, S. KUSZA, N. CAROLINO, F. SANTOS-SILVA, A. KAWĘCKA, M. ŚWIĄTEK, R. NIZNIKOWSKI, M. SPEHAR, G. ANAYA, A. GRANERO, T. PERLOIRO, P. CARDOSO, S. GRANDE, B.L. DE LOS SANTOS, C. DANCHIN-BURGE, M. PASQUINI, A. MARTÍNEZ MARTÍNEZ, J.V. DELGADO BERMEJO, E. LASAGNA, E. CIANI, F.M. SARTI, F. PILLA (2023). A comprehensive analysis of genetic diversity and environmental adaptability in worldwide Merino and Merino-derived sheep breeds. *Genetics Selection Evolution*, 55:24.
- 83) M. TOLONE, M.T. SARDINA, A. CRISCIONE, E. LASAGNA, G. SENCZUK, I. RIZZUTO, S. RIGGIO, A. MOSCARELLI, V. MACALUSO, R. DI GERLANDO, M. CASSANDRO, B. PORTOLANO, **S. MASTRANGELO** (2023). High-density SNP markers reveals the population structure of two local chicken genetic resources. *Poultry Science*, 102:102692.
- 84) G. CHESSARI, A. CRISCIONE, M. TOLONE, S. BORDONARO, I. RIZZUTO, S. RIGGIO, V. MACALUSO, A. MOSCARELLI, B. PORTOLANO, M.T. SARDINA, **S. MASTRANGELO** (2023). High-density SNP markers elucidate the genetic divergence and population structure of Noticiana sheep breed in the Mediterranean context. *Frontiers in Veterinary Science*, 10:1127354, doi: 10.3389/fvets.2023.1127354.
- 85) S. BEN JEMAA, M. TOLONE, M. T. SARDINA, R. DI GERLANDO, G. CHESSARI, A. CRISCIONE, C. PERSICHILLI, B. PORTOLANO, **S. MASTRANGELO** (2023). A genome-wide comparison between selected and unselected Valle del Belice sheep reveals differences in population structure and footprints of recent selection. *Journal of Animal Breeding and Genetics*, 5, 558-567.
- 86) G. CHESSARI, A. CRISCIONE, M. TOLONE, A. ZUMBO, S. RIGGIO, I. RIZZUTO, A. MOSCARELLI, V. MACALUSO, B. PORTOLANO, M.T. SARDINA, **S. MASTRANGELO** (2023). Genome wide analyses reveal the population distinctiveness of the “Nera del Mela” sheep. *Italian Journal of Animal Science*, 22(1), 548-559.
- 87) S. BORDONARO, G. CHESSARI, **S. MASTRANGELO**, G. SENCZUK, S. CHESSA, B. CASTIGLIONI, S. TUMINO, D. MARLETTA, A. CRISCIONE (2023). Genome-wide population structure, homozygosity and heterozygosity patterns of Nero Siciliano pig in the framework of Italian and cosmopolitan breeds. *Animal Genetics*, 54(5), 591-605.
- 88) S. RIGGIO, R. DI GERLANDO, **S. MASTRANGELO**, I. RIZZUTO, M. TOLONE, M. T. SARDINA (2023). Maedi Visna virus infection and TMEM154 genotypes in Valle del Belice sheep breed. *Italian Journal of Animal Science*, 22(1), 754–759.
- 89) M. TOLONE, **S. MASTRANGELO**, M.L. SCATASSA, M.T. SARDINA, S. RIGGIO, A. MOSCARELLI, A.M. SUTERA, B. PORTOLANO, R. NEGRINI (2023). First Investigation into the Use of Differential Somatic Cell Count as a Predictor of Udder Health in Sheep. *Animals*, 13, 3806.
- 90) G. CHESSARI, A. CRISCIONE, D. MARLETTA, P. CREPALDI, B. PORTOLANO, A. MANUNZA, A. CESARANI, F. BISCARINI, **S. MASTRANGELO** (2024).

Characterization of heterozygosity-rich regions in Italian and worldwide goat breeds. *Scientific Reports*, 14(1), 3.

- 91) G. SENCZUK, M. MACRÌ, M. DI CIVITA, **S. MASTRANGELO**, M. DEL ROSARIO FRESNO, JU. CAPOTE, F. PILLA, J.V. DELGADO, M. AMILLS, A. MARTÍNEZ (2024). The demographic history and adaptation of Canarian goat breeds to environmental conditions through the use of genome-wide SNPs data. *Genetics Selection Evolution*. 56, 2.
- 92) F. CENDRON, A. LEDESMA-RODRÍGUEZ2, **S. MASTRANGELO**, M. T. SARDINA, D. F. D. HERRERA, O. U. REINOSA, M. CASSANDRO, M. PENASA (2024). Genome wide analysis of the Siboney de Cuba cattle breed: genetic characterization and framing with cattle breeds worldwide. *Frontiers in Genetics*, 15:1302580.
- 93) I. BAAZAOU, S. BEDHIAF-ROMDHANI, **S. MASTRANGELO**, J. A. LENSTRA, A. DA SILVA, B. BENJELLOUN, E. CIANI (2024). Refining the genetic profiles of Northern African sheep breeds through Meta-analysis of worldwide genomic SNP data. *Frontiers in Veterinary Science*, 11, 1339321.
- 94) S. GIOVANNINI, G. CHESSARI, S. RIGGIO, D. MARLETTA, M.T. SARDINA, S. MASTRANGELO, F.M. SARTI (2024). Insight into the current genomic diversity, conservation status and population structure of Tunisian Barbarine sheep breed. *Frontiers in Genetics*, 15:1379086.
- 95) S. RIGGIO, M. TOLONE, S. TUMINO, B. PORTOLANO, A.M. SUTERA, M.T. SARDINA, A. CESARANI, **S. MASTRANGELO** (2024). A high-density genome-wide approach reveals novel genetic markers linked to small ruminant lentivirus susceptibility in sheep. *Frontiers in Genetics*, 15:1376883
- 96) L. FALCHI, A. CESARANI, A. CRISCIONE, J. HIDALGO, A. GARCIA, **S. MASTRANGELO**, N.P.P. MACCIOTTA (2024). Effect of genotyping density on the detection of runs of homozygosity and heterozygosity in cattle. *Journal of Animal Science*, 102, skae147.
- 97) G. GAROFALO, T. TASPINAR, G. BUSETTA, **S. MASTRANGELO**, B. PORTOLANO M. T. SARDINA, R. GAGLIO, H. ERTEN, L. SETTANNI (2024). Description of Ewiss cheese, a new ewe's milk cheese processed by Swiss cheese manufacturing techniques: microbiological, physicochemical and sensory aspects. *Journal of Dairy Science* 107 (9) 6614-6628
- 98) A. CRISCIONE1, G. CHESSARI, A. CESARANI, M. ABLONDI, V. ASTI, D. BIGI, S. BORDONARO, R. CIAMPOLINI, C. CIPOLAT-GOTET, M. CONGIU, P. DE PALO, V. LANDI, N.P.P. MACCIOTTA, D. MATASSINO, B. PORTOLANO, S. RIGGIO, A. SABBIONI, M.T. SARDINA, G. SENCZUK, S. TUMINO, M. VASINI, E. CIANI, **S. MASTRANGELO** (2024). Analysis of ddRAD-seq data provides new insights into the genomic structure and patterns of diversity in Italian donkey populations. *Journal of Animal Science*, 102, skae165.
- 99) **S. MASTRANGELO**, F. BISCARINI, S. RIGGIO, M. RAGATZU, A. SPATERNA, F. CENDRON, R. CIAMPOLINI (2024). Genome-wide association study for morphological and hunting-behavior traits in Braque Français Type Pyrénées dogs: a preliminary study. *The Veterinary Journal*, 106189.
- 100) D. COLOMBI, F. PERINI, S. BETTINI, **S. MASTRANGELO**, F. ABENI, G. CONTE, D. MARLETTA, M. CASSANDRO, U. BERNABUCCI, R. CIAMPOLINI, E. LASAGNA (2024). Genomic responses to climatic challenges in beef cattle: a review. *Animal Genetics*, 55:854–870.

- 101) O. O. ADENIYI, J. A. LENSTRA, **S. MASTRANGELO**, G. LÜHKEN (2024). Genome-wide comparative analyses for selection signatures indicate candidate genes for between-breed variability in copper accretion in sheep. *Animal* 18, 101329
- 102) S. BEN-JEMAA, G. YAHYAOU, S. KDIDI, A. NAJJARI, J.A. LENSTRA, **S. MASTRANGELO**, S.B.S GAOUAR, J. M. MWACHARO, T. KHORCHANI, M.H. YAHYAOU (2025). Genome-wide scans for signatures of selection in North African sheep reveals differentially selected regions between fat- and thin- tailed breeds. *Animal Genetics*;56: e13487.
- 103) A. DA SILVA, A. AHBARA, I. BAAZAOU, S. BEN JEMAA, Y. CAO, E. CIANI, E.F. DZOMBA, L. EVANS, E. GOOTWINE, O. HANOTTE, L. HARRIS, M-H. LI, **S. MASTRANGELO**, A. MISSOHOU, A. MOLOTSI, F.C. MUCHADEYI, J.M. MWACHARO, G. TALLET, P. VERNUS, S.J.G. HALL, J.A. LENSTRA (2025). History and genetic diversity of African sheep: contrasting phenotypic and genomic diversity. *Animal Genetics*, 56: e13488
- 104) A. CRISCIONE, S. BEN JEMAA, G. CHESSARI, S. RIGGIO, S. TUMINO, G. CAMMILLERI, A. LASTRA, F. CARTA, M. T. SARDINA, B. PORTOLANO, S. BORDONARO, A. CESARANI, **S. MASTRANGELO** (2025). Detecting the footprint of selection on the genome of Girgentana goat, a popular ancient breed. *Animal*, 19,101466
- 105) S. TARRICONE, N. SCHLOSSEROVÁ, S. BRUNO, M. T. SARDINA, V. LANDI, F. GIANNICO, M. A. COLONNA, F. M. SARTI, E. LASAGNA, S. CECCOBELLI, **S. MASTRANGELO**, P. CREPALDI, F. PILLA, E. CIANI, M. RAGNI (2025). Selection Signatures in Italian Goat Populations Sharing the “facciuto” Phenotype. *Genes*, 16(4), 390.
- 106) A. CESARANI, L. DEGANO, **S. MASTRANGELO**, M. WENTER, M. TRÖGER, D. VICARIO, R. STERI, G. PULINA, N. P. P. MACCIOTTA (2025). Phenotypic and genetic analysis of auction selling performances of young Simmental calves. *Italian Journal of Animal Science*, 24 (1), 971–977.
- 107) S. BEN JEMAA, A. CESARANI, E. CIANI, **S. MASTRANGELO**. (2025). Genome-based analysis for the identification of candidate genes associated with skin-photosensitization tolerance in sheep. *The Veterinary Journal*, 313 - 106380.

INDICATORI BIBLIOMETRICI

Banca dati	H-index	Pubblicazioni	Citazioni
SCOPUS	26	109	1994

Attività didattica

Titolare dei seguenti insegnamenti:

a.a. 2021/22

1. *Animal food quality* (3 CFU) nel corso integrato di Animal food and fisheries. Anno accademico 2021/2022. Laurea Magistrale in “Mediterranean Food Science and Technology”, Università degli Studi di Palermo.

2. *Zootecnica* (3 CFU) nel corso integrato di Biotecnologie Agrarie. Anno accademico 2021/2022. Laurea Triennale in Biotecnologie, Università degli Studi di Palermo.

a.a 2022/23

3. *Animal food quality* (3 CFU) nel corso integrato di Animal food and fisheries. Anno accademico 2022/2023. Laurea Magistrale in “Mediterranean Food Science and Technology”, Università degli Studi di Palermo.
4. *Zootecnica* (3 CFU) nel corso integrato di Biotecnologie Agrarie. Anno accademico 2022/2023. Laurea Triennale in Biotecnologie, Università degli Studi di Palermo.

a.a 2023/24

5. *Zootecnica* (3 CFU) nel corso integrato di Biotecnologie Agrarie. Anno accademico 2023/2024. Laurea Triennale in Biotecnologie, Università degli Studi di Palermo.
6. *Zootecnica e Tracciabilità Genetica delle Produzioni Animali* (6 CFU). Anno accademico 2023/2024. Laurea Triennale in Scienze Gastronomiche (L/GASTR), Università degli Studi di Palermo.
7. *Didattica della Zootecnia Generale* (2 CFU). Percorsi Abilitanti, A051. Università degli Studi di Palermo.
8. *Didattica della Zootecnia Generale e del Miglioramento Genetico* (2 CFU). Percorsi Abilitanti, A052. Università degli Studi di Palermo.

a.a. 2024/25

9. *Zootecnica* (3 CFU) nel corso integrato di Biotecnologie Agrarie. Anno accademico 2024/2025. Laurea Triennale in Biotecnologie, Università degli Studi di Palermo.
10. *Zootecnica e Tracciabilità Genetica delle Produzioni Animali* (6 CFU). Anno accademico 2024/2025. Laurea Triennale in Scienze Gastronomiche (L/GASTR), Università degli Studi di Palermo.
11. *Zootecnica e Tracciabilità Genetica delle Produzioni Animali* (6 CFU). Anno accademico 2024/2025. Laurea Triennale in Scienze Gastronomiche (L/GASTR), Università degli Studi di Palermo – sede TRAPANI.
12. *Elementi di Zootecnia* (6 CFU). Anno accademico 2024/2025. Laurea Triennale in Farmaceutica e nutraceutica animale, Università degli Studi di Palermo.
13. *Didattica della Zootecnia Generale e del Miglioramento Genetico* (2 CFU). Percorsi Abilitanti, A051 e A052. Università degli Studi di Palermo.

Partecipazione al collegio dei docenti del dottorato BAF, Ateneo proponente: **Università degli Studi di PALERMO** Titolo: **"BIODIVERSITY IN AGRICULTURE AND FORESTRY"**.
Anno accademico di inizio: **2022/2023** - Ciclo: **38**

Partecipazione al collegio dei docenti del dottorato BAF, Ateneo proponente: **Università degli Studi di PALERMO** Titolo: **"BIODIVERSITY IN AGRICULTURE AND FORESTRY"**.
Anno accademico di inizio: **2023/2024** - Ciclo: **39**

Partecipazione al collegio dei docenti del dottorato BAF, Ateneo proponente: **Università degli Studi di PALERMO** Titolo: **"BIODIVERSITY IN AGRICULTURE AND FORESTRY"**.
Anno accademico di inizio: **2024/2025** - Ciclo: **40**

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Dlgs 196 del 30 giugno 2003 e dell'art. 13 GDPR

Palermo, 15-06-2025